



Genetics

Subject : Ribonucleic acid (RNA)

Lec no : 7

Done By : Noor Zamel

وَقَالَ رَبُّ زَكْرُونَى عَلَيْهِ

خلونا يا جماعة قبل ما نبلش بالمحاضرة نعطيكم طريقة تكسبوا فيها أجر
وانتو قاعدين بمحاكم

طب يلا اتحمسنا شو هي طريقة؟

الموضوع هو كالآتي التبرع برصيد الطيارة تبعكم للطلاب المحتاجة
الأغلب عنا يستخدم أيجاد وما يحتاج هاد الرصيد فليش ماتكسب أجر وتعطيه لناس
احتاجيته

طب خلص أنا اقتنعت وبدي اتبرع شو أعمل؟

الموضوع جداً بسيط عزيزى الطالب كل يلي عليك ت عمله هي أنه تتأكد أول أشيء أنه
عندك رصيد طب كيف؟ سهلة بتروح على
بوابة > خدمات أخرى > رصيد الطيارة

إذا أعطاك (لا يوجد أي حركات طيارة حالياً) معناها رصيدكم موجود وفيكم تبرعوا

طب تأكدت كيف أتبرع هسا؟

من البوابة > خدمات أخرى > الدخول لشبكة الانترنت (المختبرات واللاسلكية)
بتأخذ اسم المستخدم (وily هو رقمك الجامعي) ويتنسخ كلمة السر
وآخر أشيء بتدخل على QR CODE يلي تحت وبتعبي فورم تبرع بالرصيد

وبس كده انتهت القصة شفتو قديش سهلة و بتكتب فيها
أجر كل حدارج يدرس من الورق يلي اتبرعت فيه

قال - صلى الله عليه وسلم -: (صنائع المعروف تُقي مصارعَ السوءِ و
الآفاتِ والهلكاتِ، وأهل المعروف في الدنيا هم أهل المعروف في الآخرة)

يلا روحوا كملوا المحاضرة
يعطيكم العافية



تجدون في guidance مادة الجينتكس على موقع النادي:

الوصول الى guidance الجينتكس و تفاصيل المادة كاملة :



تجدون هنا شرح المادة كاملة

GENETICS ALAA AL-GAZZAR

شرح الدكتورة ولاة الجزار للمادة

تجدون هنا شرح الفريق العلمي للمادة كاملة

شرح قسم (السلides مختلفة) يمكن الاستفادة منها لنفهم الموضع

OLD GENETICS

يمكن الاستفادة من تفاصيل الدفع السابقة

ATHAR BATCH

YAQEEN BATCH

VEIN BATCH

كل أعمال الفريق العلمي تنشر على قناة
التليغرام



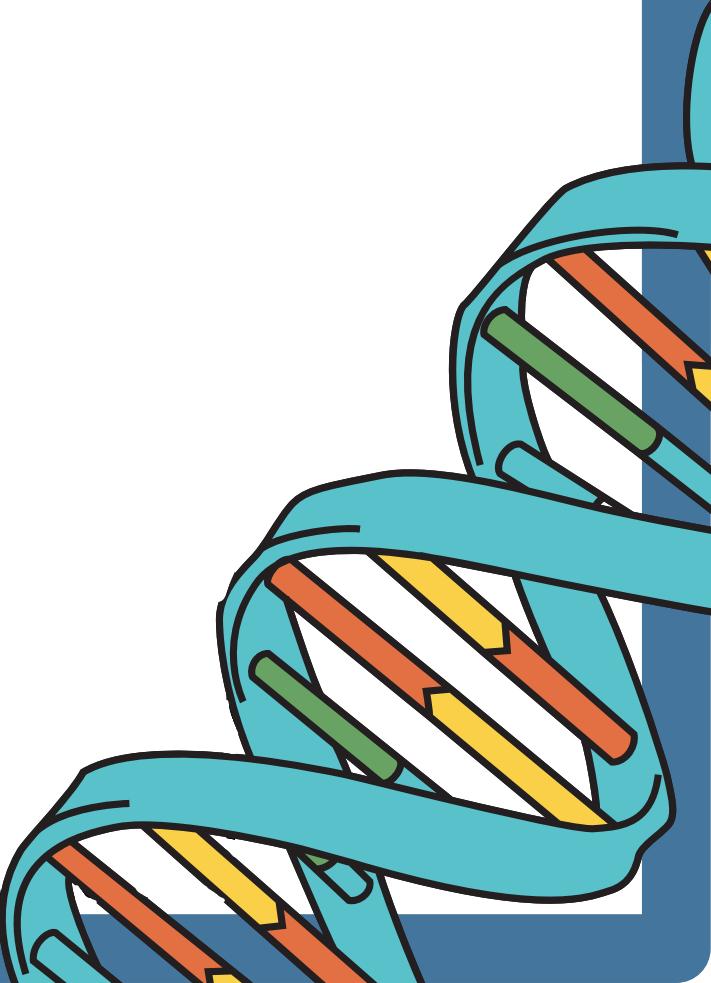
medclubhu.weebly.com

GUIDE SLIDES NOTES RECORDS

5 ← →



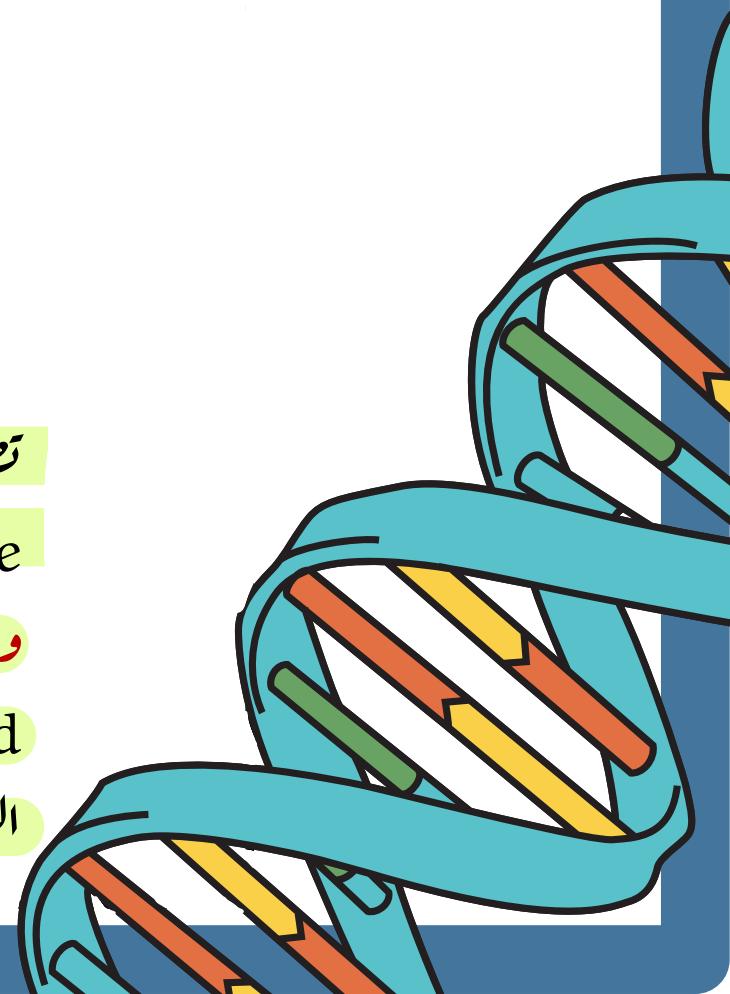
Transcription RNA structure و بعد هارع نحكي عن ال





Ribonucleic Acid (RNA)

- Ribonucleic acids are polyribonucleotides. They contain mainly four nucleotides; AMP, GMP, CMP, UMP.
 - The nucleotides forming the structure of RNA are interconnected as in DNA by phosphodiester bonds.
 - RNA molecules are synthesized in a process termed transcription where the sequence of bases in each RNA molecule is controlled by base sequence in one strand of DNA (template strand).





r RNA

من أكثر انواع ال RNA و يكون
cellular RNA من ال %80

Types of RNA:

أهم 3 أنواع من ال RNA
بس طبعاً عنا كتير انواع غير هم

t RNA

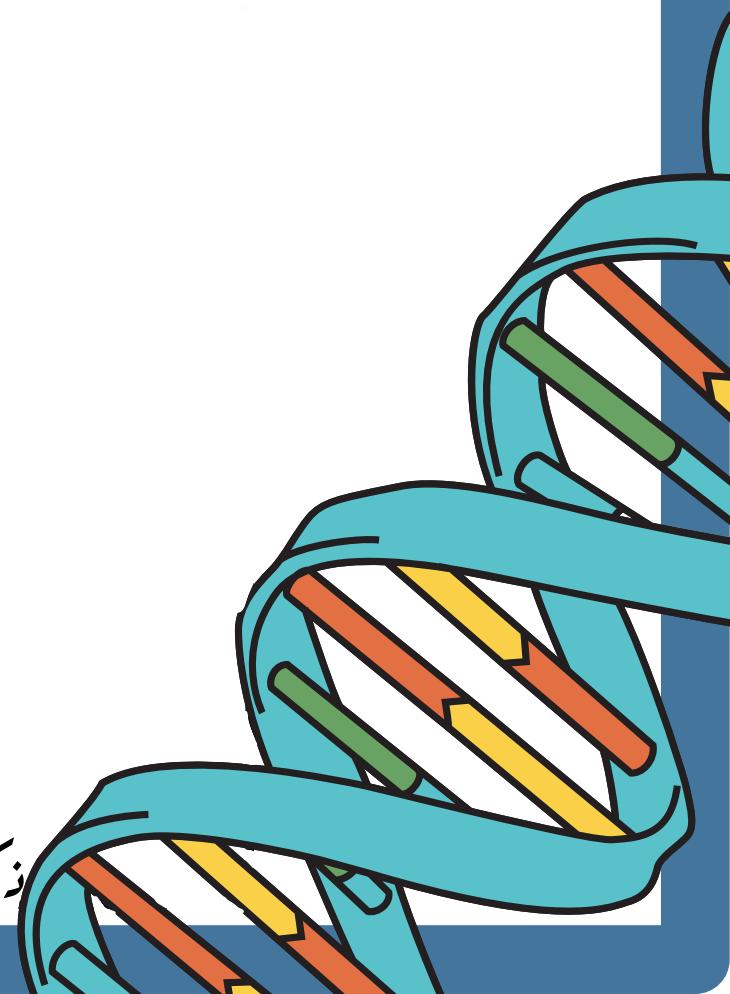
15%

- Three main types of RNA are formed and all are related to protein synthesis:
- 1- Ribosomal RNA (rRNA) molecules form 80% of cellular RNA.
- 2- Transfer RNA (tRNA) form 15% of cellular RNA.
- 3- Messenger RNA (mRNA) molecules form 5% of cellular RNA.

m RNA

و هوه هار اللي حيتضم لبروتين هل مطهي تكون نسبة اقل انسى ؟

ذكرنا هار الا نسي قبل و قلنا انه انه ال coding genome اقل من 2% من ال Total sequence يعني اصل ال DNA اللي المفروض يعطونا ال mRNA قليلين في مطهي



وين بنالقيه هار ال rRNA ؟

بنالقيه مع بعض البروتينات
ومكونه لالرايبروسوم

هاري الرايبروسومات اللي بال

هي المصنع اللي cytoplasm

مبصير عليه عملية ال

عن طريق انه translation

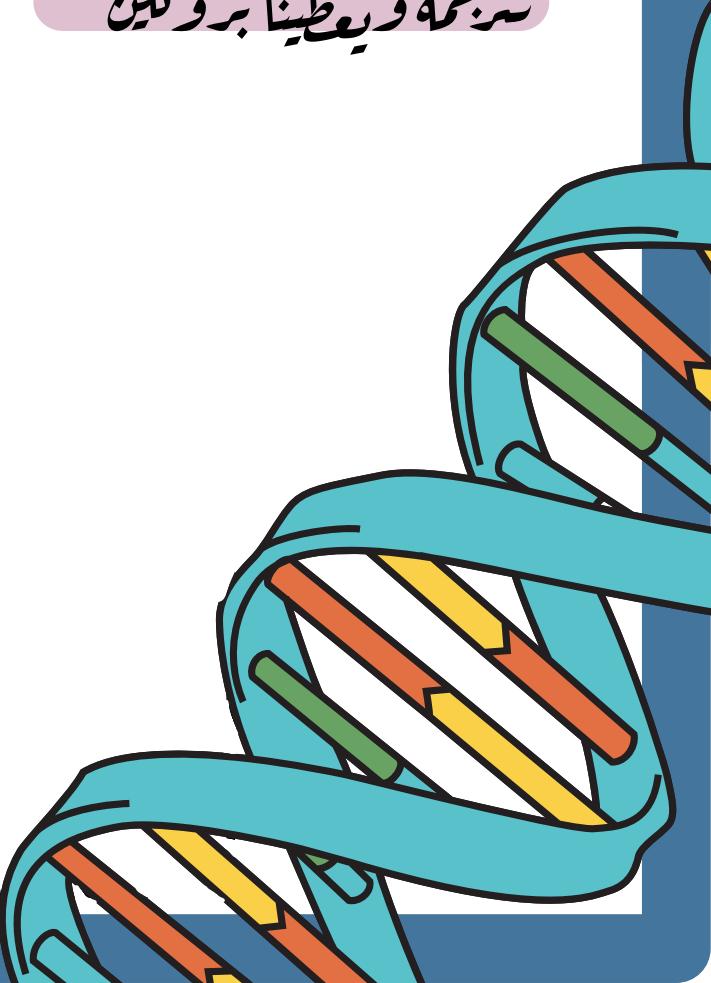
يوقف عليه ال mRNA عنان

نترجمة ويعطينا بروتين



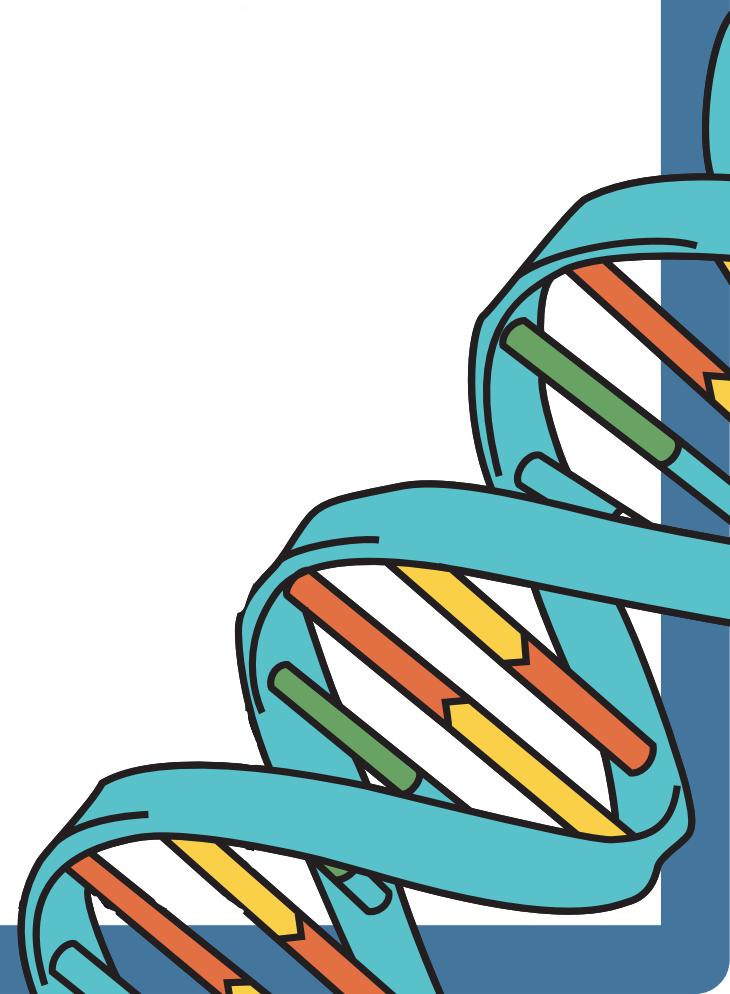
Ribosomal RNA (r RNA):

- rRNA are found in association with several proteins as components of the ribosomes , which are the complex structure that serve as the site for protein synthesis by interacting with the mRNA and tRNA.

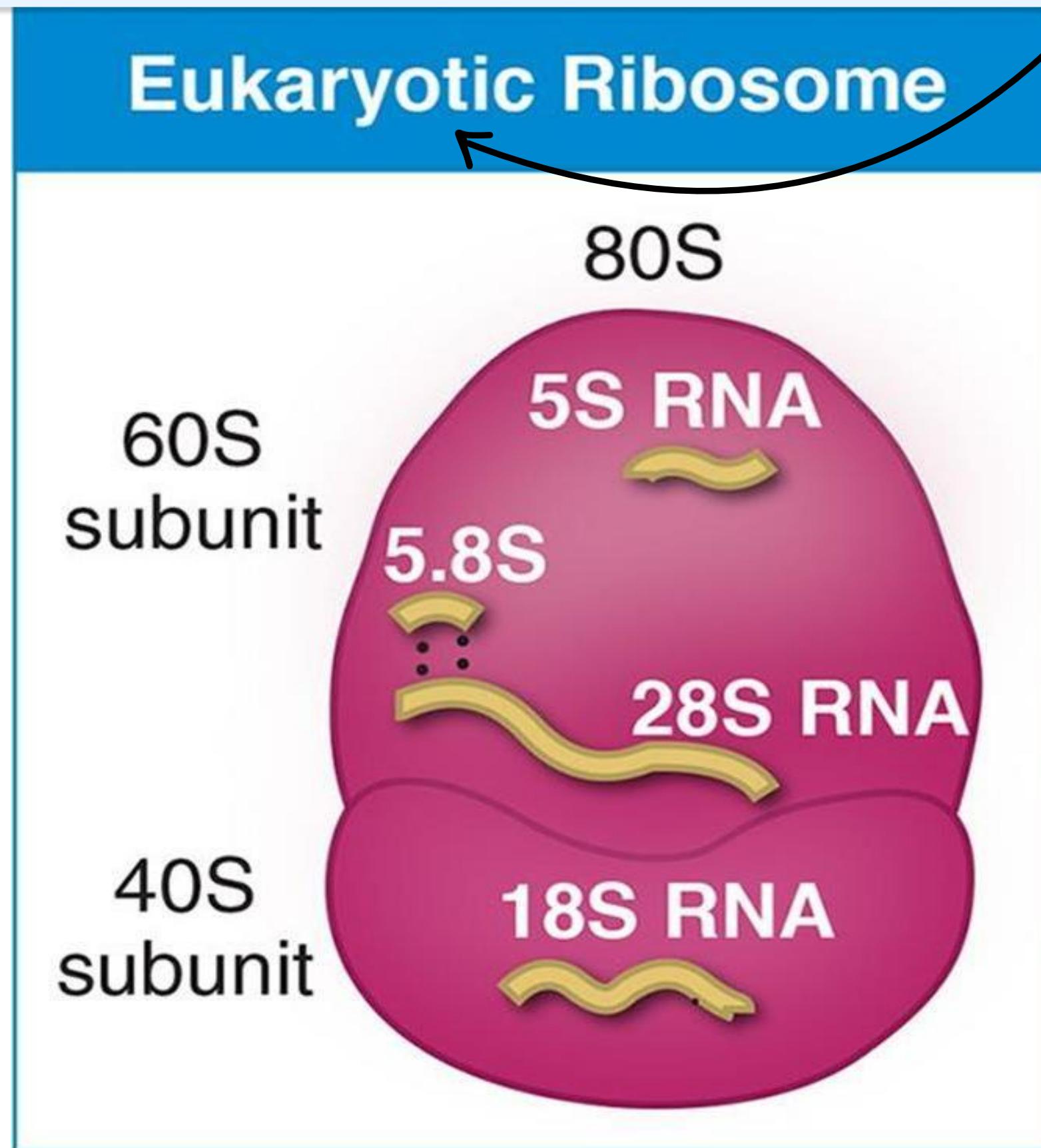




- Eukaryotic **80S** ribosome consists of two **nucleoprotein** subunits of unequal size, the **60S** subunit and the **40S** subunit:
- The **60 S** ribosomal subunit: Consists of about 50 polypeptides combined with three subtypes of ribosomal RNA (5S, 5.8S , 28S rRNA)
- The **40 S** ribosomal subunit: Consists of 35 polypeptides combined with one r RNA (18S)
- Both 60S and 40 S combine together to form the **80 S** full ribosomal subunit.



وانتبهوا الى الارقام بتختلف بين prokaryotic وال eukaryotic واخذناهم قبل!



Eukaryotic Ribosome 80S

2 Subunits

Large subunit 60S

Proteins

50

Polypeptide chains

rRNA

5S

5.8S

28S

Small subunit 40S

Proteins

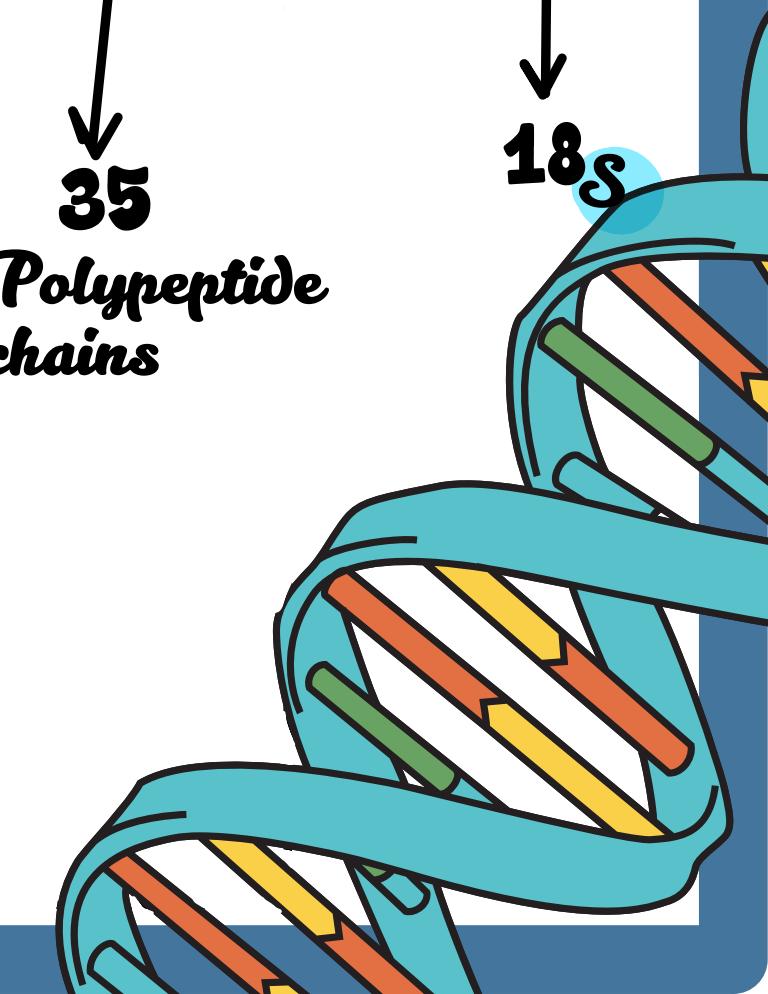
35

Polypeptide chains

rRNA

18S

٥ مع تحكيم عنصر اهلا





هي وحدة لقياس الـ sedimentation velocity (سرعة التسرب) وأدناها بعمل centrifugation (طرد مركزي)

- **S= Svedberg unit (sedimentation or S unit):** it is the unit that measures the sedimentation velocity of different particles depending on their molecular weight as well as the size of the particles by using high speed centrifuge.
- Because the S values are determined both by *shape as well as molecular mass, their numeric values are not strictly additive.

الـ unit الأكبر من الريبوسوم لو عملنا لها centrifugation تكون سرعة ترسيرها 60 والصغرى 40 طب لو جبت الريبوسوم كامل الليه همه مكون من الوحدتين هل يرجع تكون سرعة ترسيرها 100 ؟

لا 80 لأن السرعة non-additive (جمع) sedimentation velocity اختلفت بالاضافة لوزن الـ molecule ع سطحه كان في الا انها additive velocity اكيد الـ units مختلف بالتألي الـ velocity اختلفت السرعة بعمرها



Messenger RNA (mRNA)

- It forms about 5 % of the total RNA. mRNA is synthesized in the nucleus as a single strand with base sequence complementary to a specific DNA region called gene (that codes the information of certain protein). Every three nitrogenous base in mRNA form one codon specific for one amino acid.

كل 3 bases nitrogenous في mRNA يعبر عن 1 amino acid و كل 3 bases nucleotide في mRNA يترجمون في الريبوسوم على هيئة 1 codon.

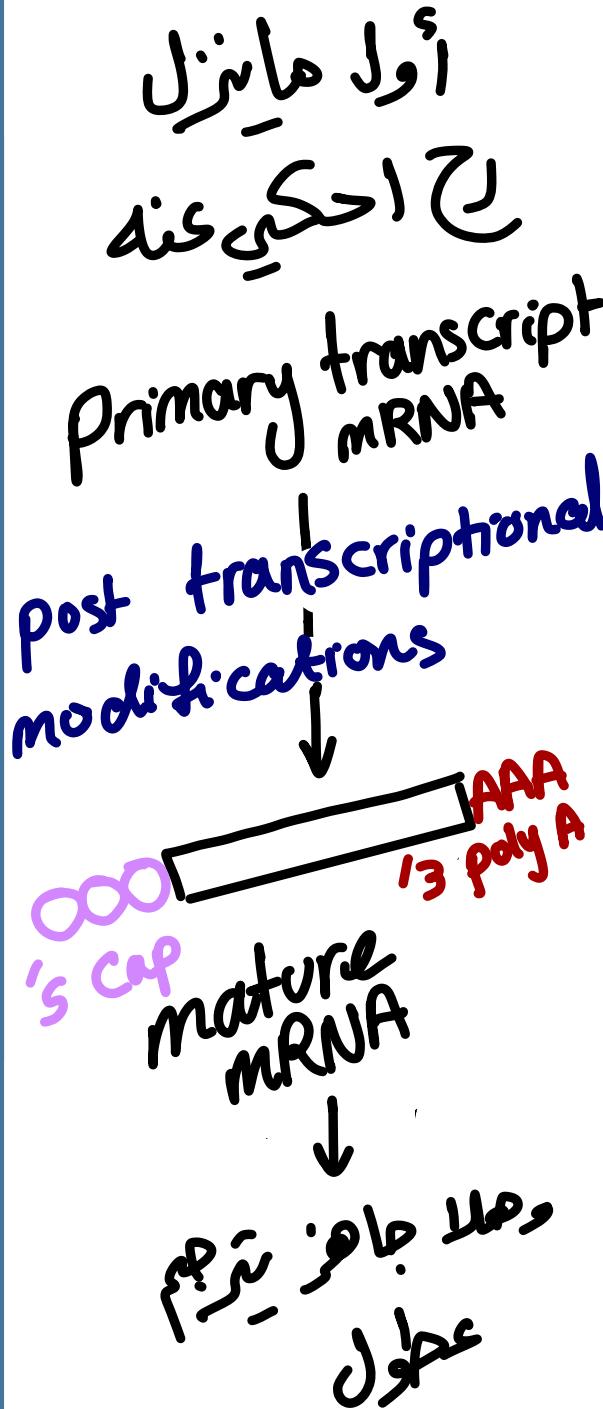
مكتوبة قبل انه ال sequence
تابع النيو كليوتيد الموجود
بالمجين في ال DNA من continuous
و عباره عن non coding
الالي intron و exons وال coding
coding
طيب بما انه ال DNA هي
معناها ببس يصير له نسخ
برضو مكون فيه mRNA
exons و intron



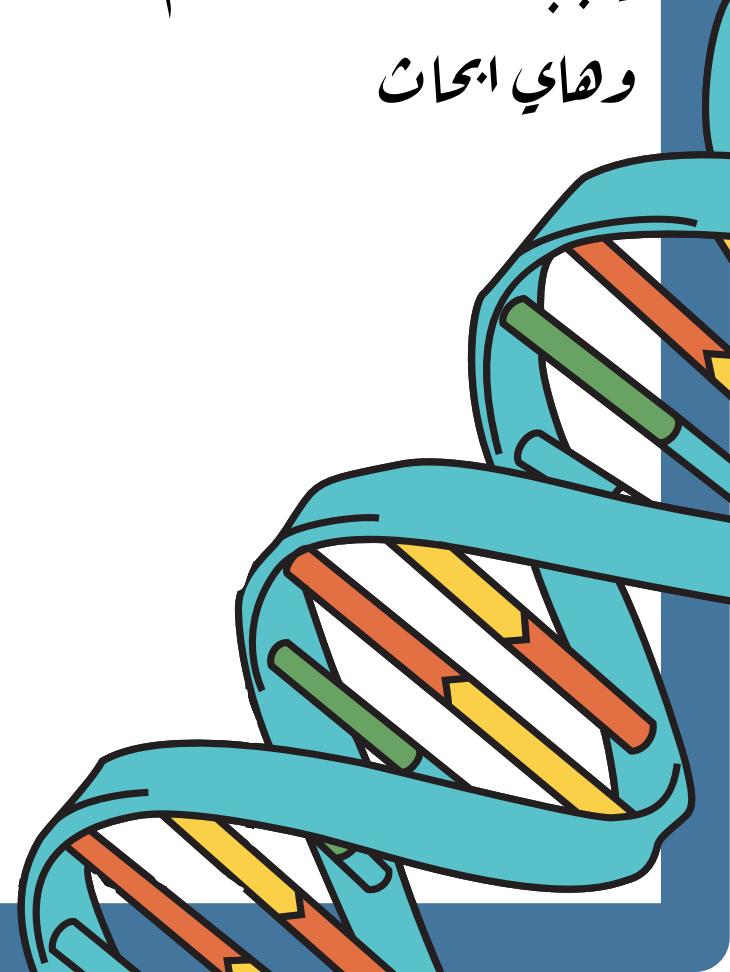


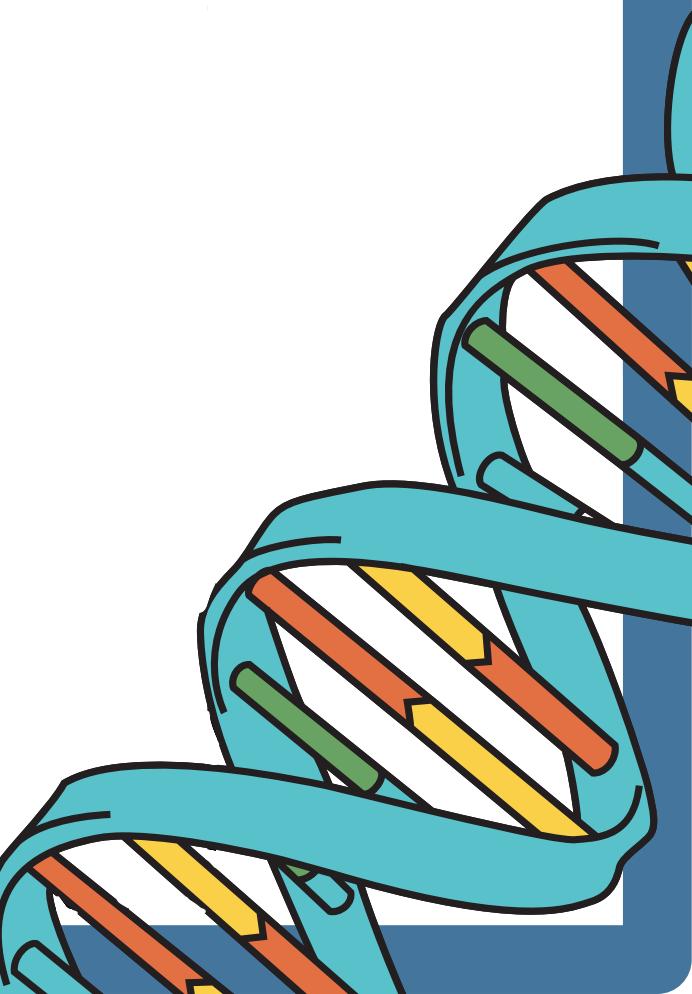
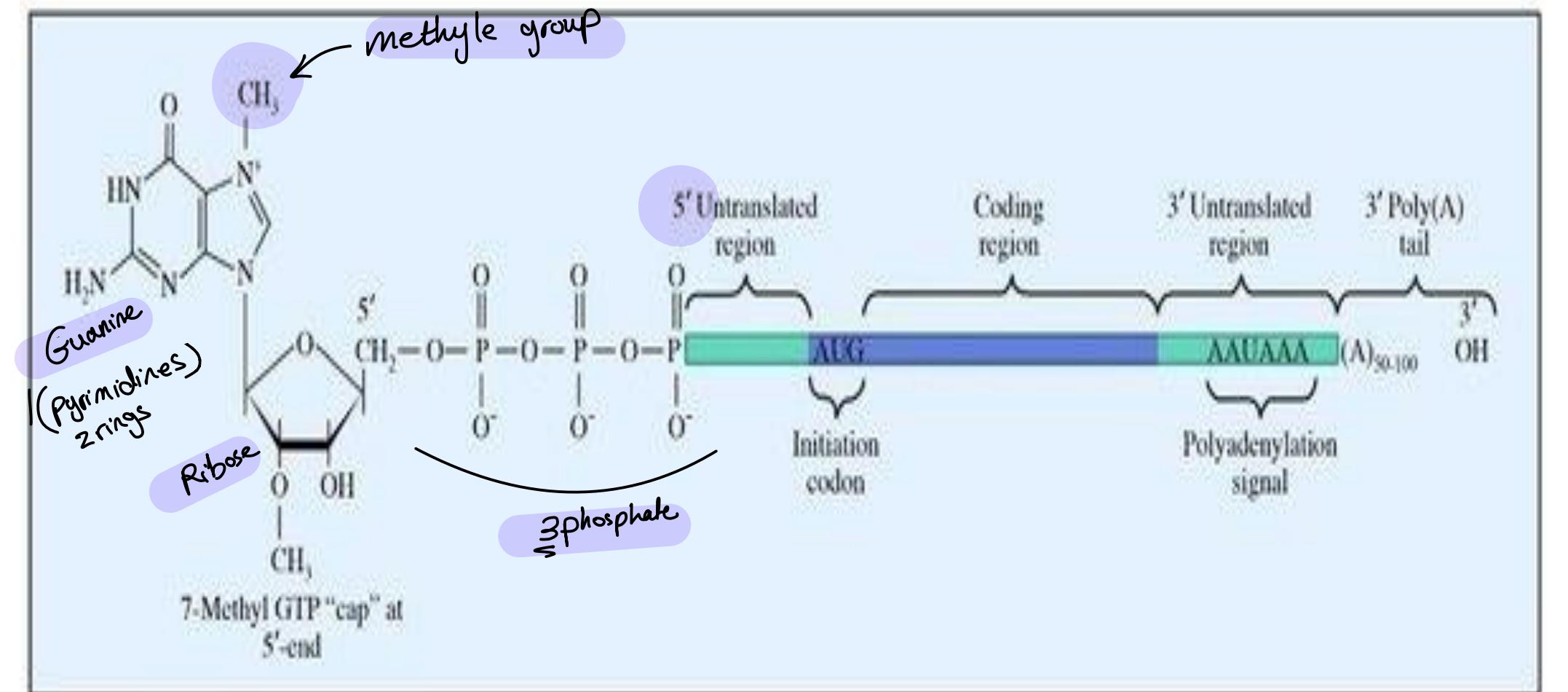
● Eukaryotic mRNA has the following features:

- It contains coding regions (exons) that can be translated, and untranslated regions in between exons called introns.
- It contains noncoding segments called untranslated regions (UTRs) at both their 5^l & 3^l ends.
- At the 5^l ends there is 7-methylguanosine triphosphate cap and at its 3^l ends there is a poly A tail, these modified ends are created by post-transcription modification process in the eukaryotic cells *



الـ UTR بالاضافة لوظيفتها بالـ regulation اللي حكينا عرنا بالسلايد ١٣
الـ UTR نفسه وهو انه الاختلاف بين الـ start و الـ stop الممكن يسبب امراض من ضعف حميم الـ cancer وهما احداث

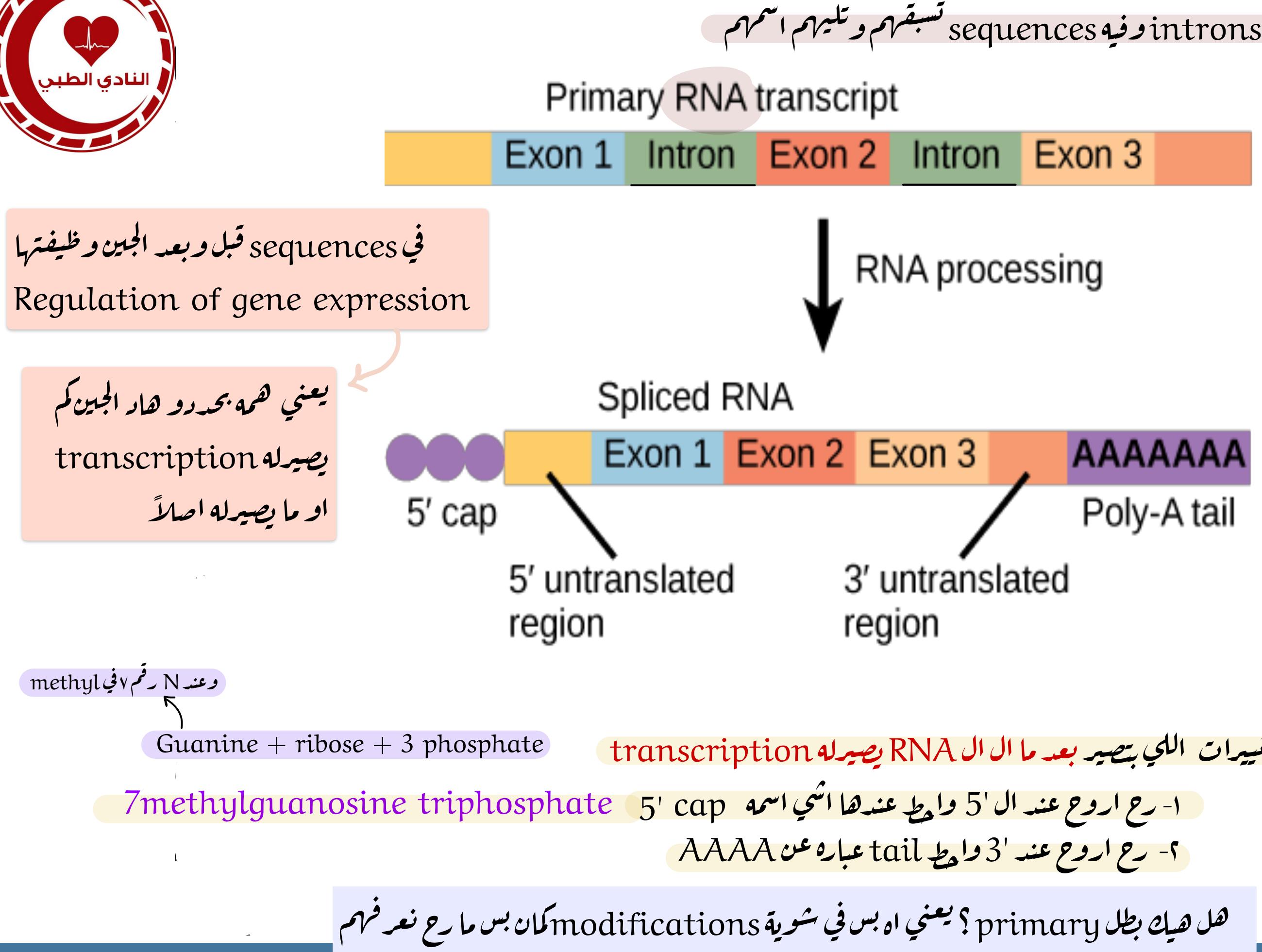






في sequences قبل وبعد الجين وظيفتها
Regulation of gene expression

يعني همه بحث رو هار الجين كم
يصير له او ما يصير له اصلاً



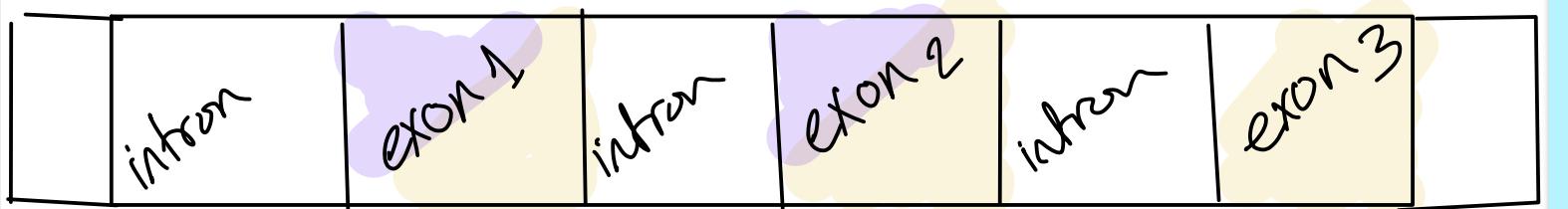
طبل هدول ال (UTR) موجودين عند فوف
عند الجين؟ اه طبعاً موجوده ما في اشي بال
الـ RNA الا ومحول ال sequence تاعها
نيوكليوبيتان موجودة ع ال DNA

هار بعده سميت أول mRNA بانه
بدى انفع انه يصيّر Primary
صحيّ يصيّر modifications
mature



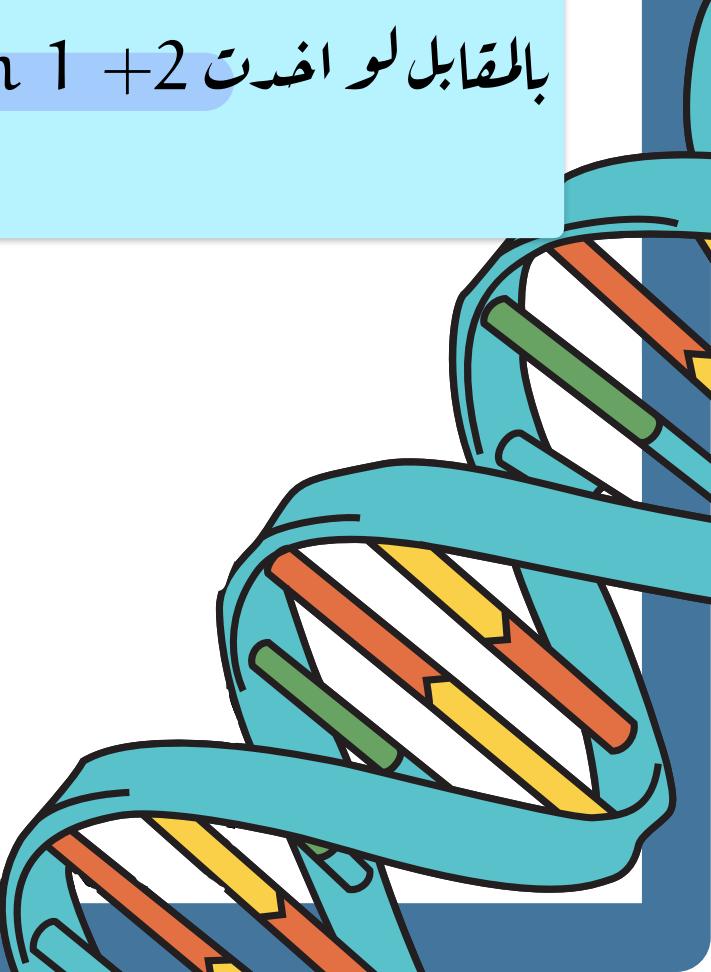
من ضمن ال modifications الالي بتصير كان انه بشيل ال splicing introns و بازره ال مع بعض عشان وانا ع الرابوسوم عم بعمل البروتينات ما يكون عندي اشياء ما الرا داعي exons

طيب ايش فائده انه يكون في exons و introns بنفس الجين ؟



اهنا عنا تقريباً ٢٠...٣٠ جين وعنا بروتينات اكتر بكثير يعني هل الجين الواحد في نسخ معين يعطيني نوع من البروتينات و بنسخ تاني هوه نفس الجين يعطيني نوع تاني ؟ اه

كيف ؟
هلا اهنا ممكن لا اعمل modifications اخد exon 1+2+3 ويزحهم لبروتين x مثلا
بالمقابل لو اخذت exon 1 +2 ويزحهم لبروتين y .. .





Transfer RNA (tRNA)

- It forms about 15 % of the total RNA. Each tRNA consists of 70-90 nucleotides. The main role of t RNA is to carry and transport amino acids to the ribosome during protein synthesis. tRNA consists of single strand folded to have the shape of cloverleaf appearance with four loops & an acceptor arm

Amino acid || acceptor arm هن اسمع رح تحمل

الشّلّال بـ سلايد ١٨

طيب كيف رع يعرف انه هار الكورون تبع ال amino acid اللي جاييه؟
في اشي بال structure تبعه باعده هار رع نعرفه

mRNA صار له
transcription طلع من ال
nucleus وراغ وقف ع
الرايبروسوم عشان يصير له
translation يعني رع يقرأ
amino bases كل 3
واحد طيب مين رع جب
هار ال amino acid
tRNA

وع رع بمحظه في المطاف المزاج عن
الكورون تبعه في ال mRNA

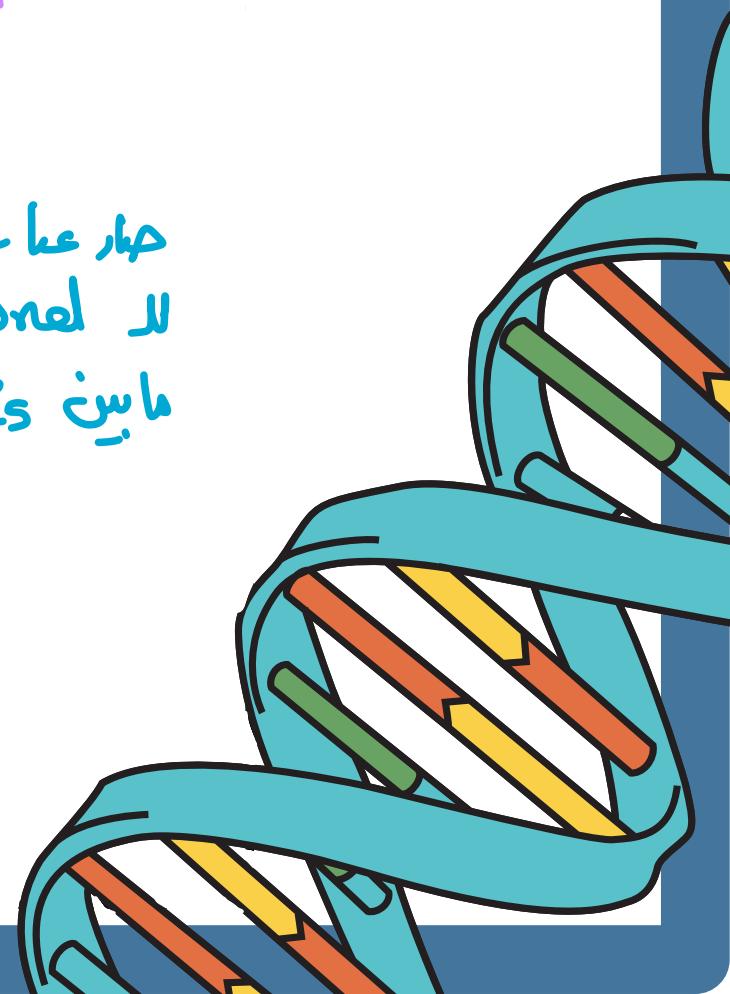
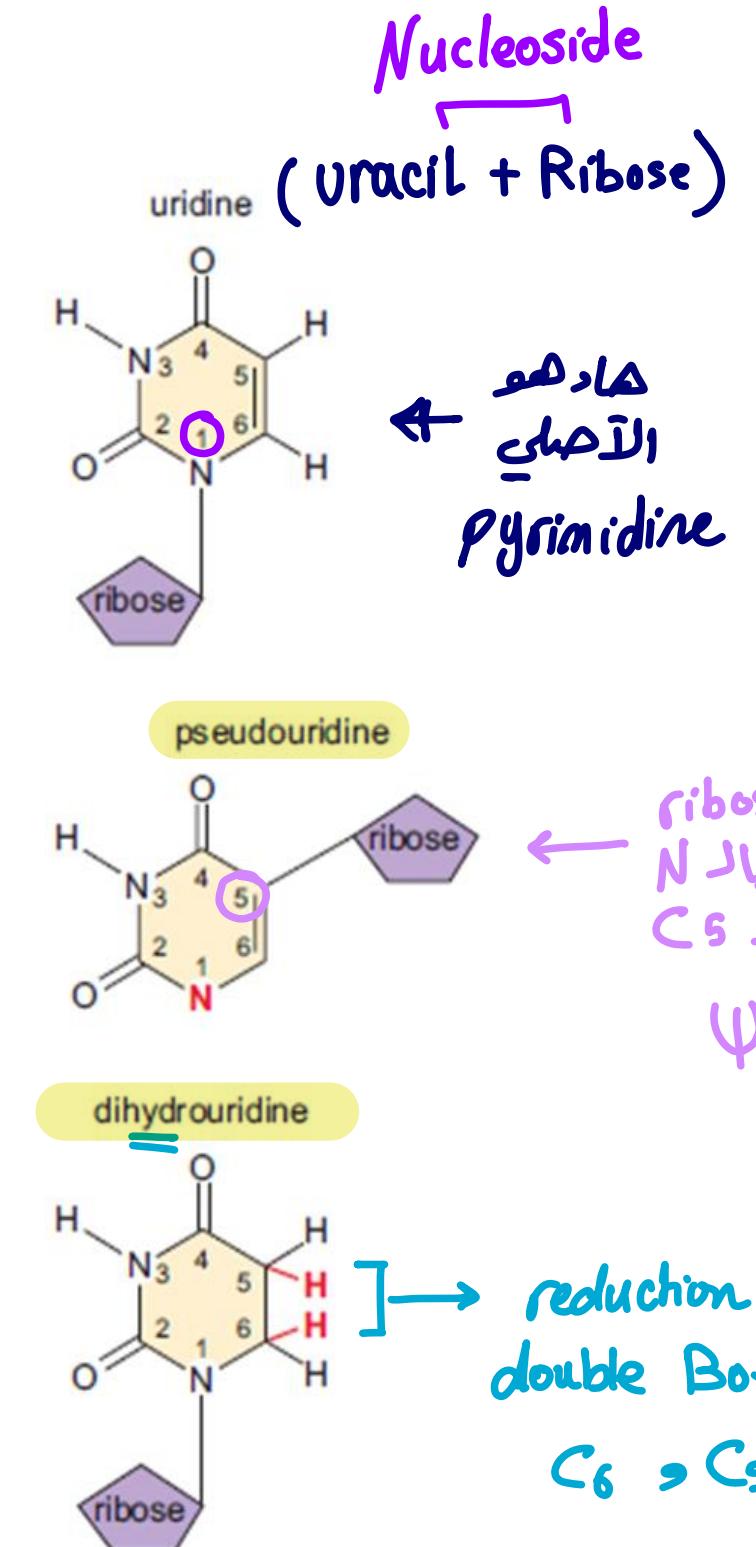




النادي الطبي

مهم نعرف انه هاي
Unusual bases
transcription بعد ال
عنه همه يكونو
بعد بن عن طريق انتزعان معينة
modifications
بعدين
من كان هيله كان ديجيره
transcription بعد ال modifications
mRNA *

- A striking aspect of tRNAs is the presence of **several unusual bases** in their **primary structure**. These unusual features are created **post-transcriptionally** by enzymatic modification of normal bases in the polynucleotide chain. For example, **pseudouridine (ΨU)** is derived from uridine by an isomerization in which the site of attachment of the uracil base to the ribose is switched from the nitrogen at ring **position 1** to the carbon at ring **position 5**. Likewise, **dihydrouridine (D)** is derived from uridine by enzymatic reduction of the double bond between the carbons at positions 5 and 6.





- Other unusual bases found in tRNA include hypoxanthine, thymine, and methylguanine. These modified bases are not essential for tRNA function, but cells lacking these modified bases show reduced rates of growth. This observation suggests that the modified bases lead to improved tRNA function. For example, hypoxanthine plays an important role in the process of codon recognition by certain tRNAs.

آن موجود می-
or mRNA

Unusual bases لـ، جـ، حـ

ماکو هوہودین ڪادي رح

نَصْرٌ عَلَيْهِ التَّرْجِمَةُ وَكَلْمَلُ

وَخَلَقْتَهُ مِنْ لَعْنَاءِ آنَهِ

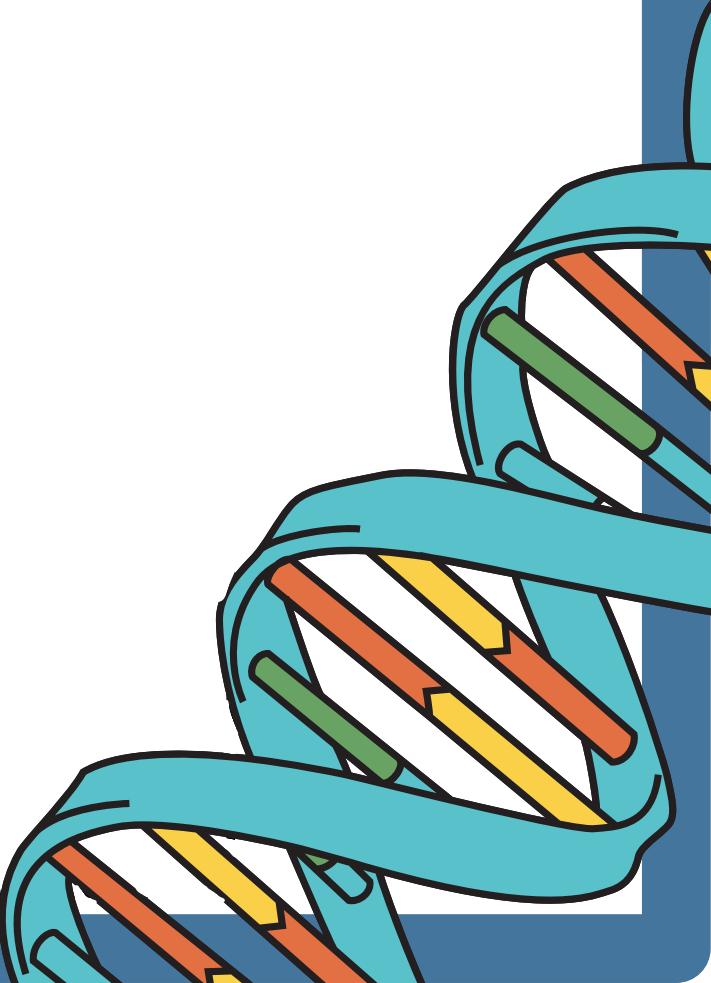
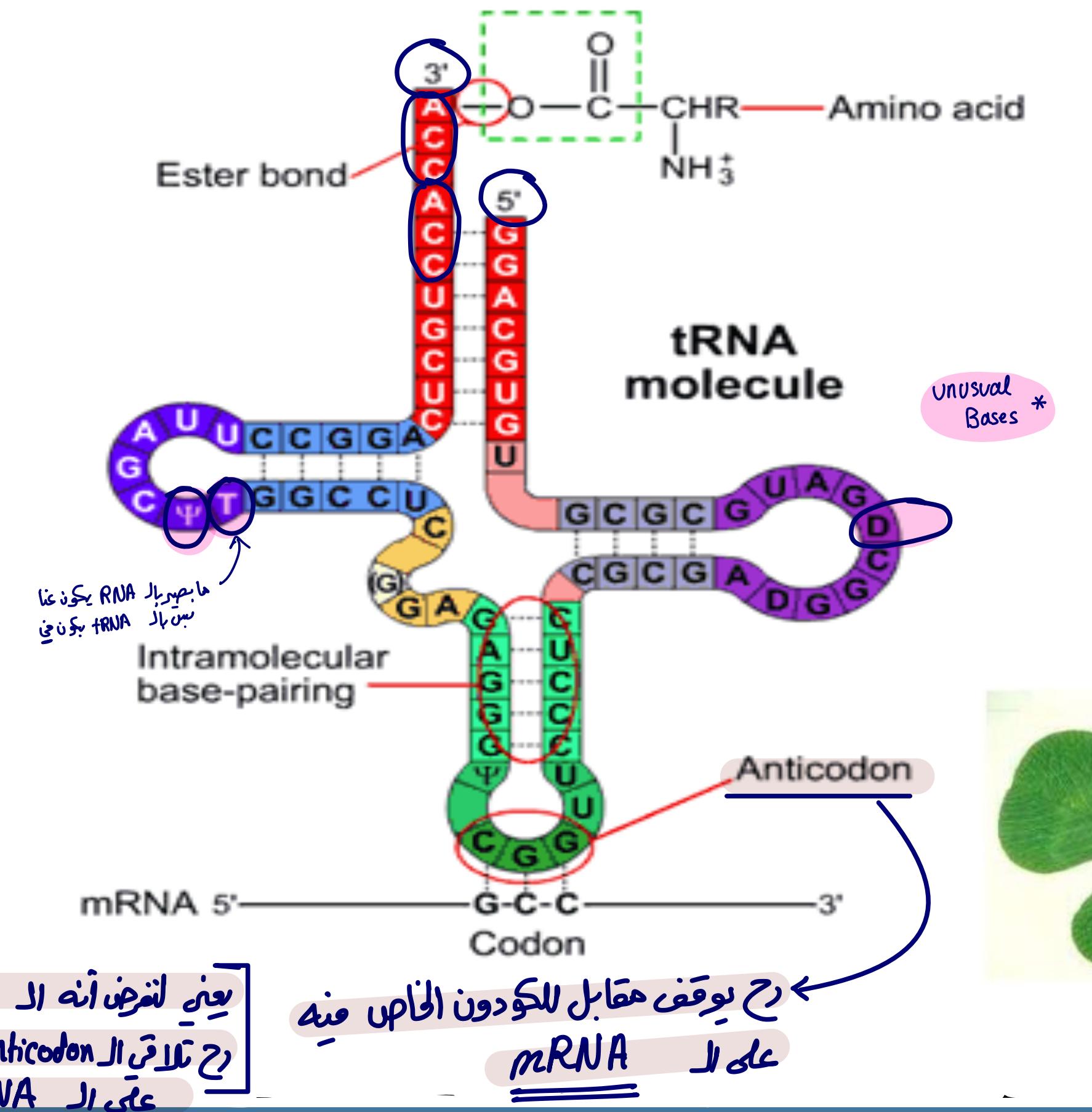
نَقْلُ سُرْعَةِ الْأَنْفُ

زنگنه ایران مخابرات

فَهَدَوْنَا لَهُمْ وَهُنَّ
يَوْمَ نَبْشِرُ الْمُتَّقِينَ

+ tRNA - - و خلاصه از



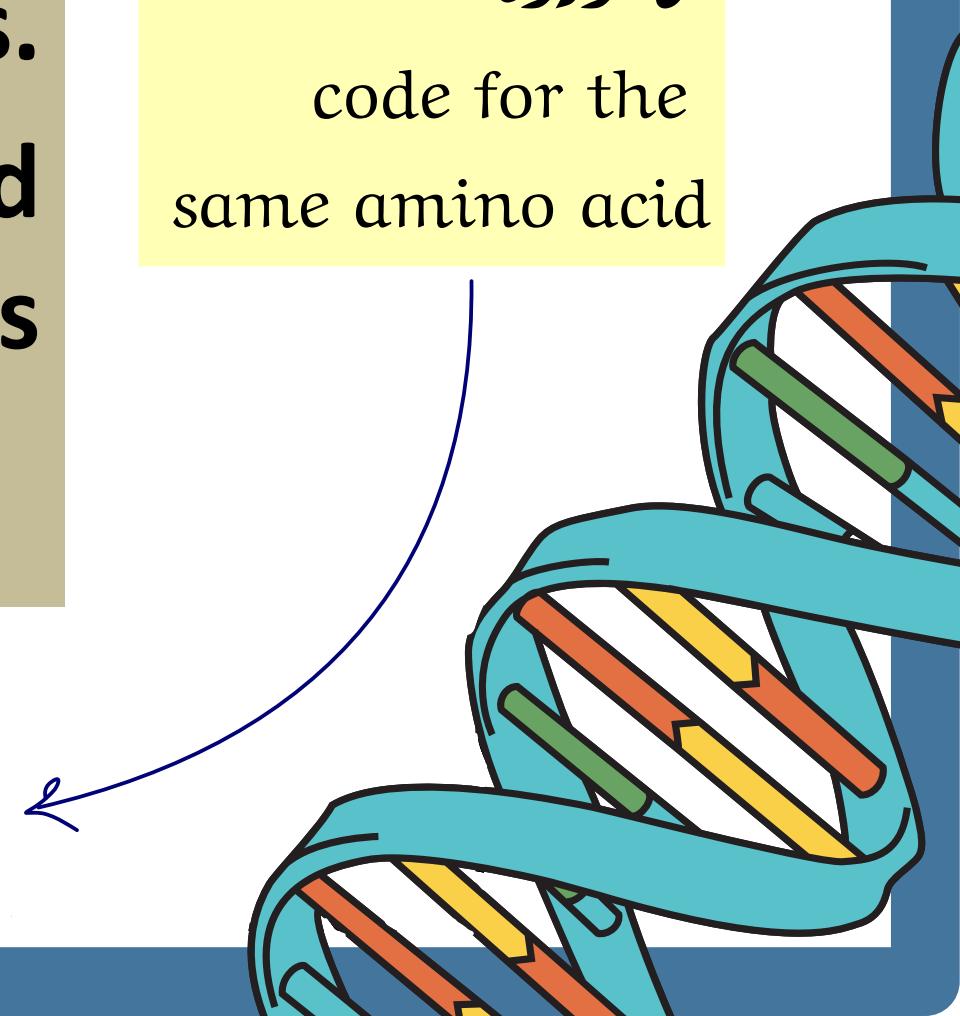




- The acceptor arm of tRNA is at the 3' end and has the specific sequence CCA. Amino acids are carried on the 3' end.
- There are at least 20 species of tRNA molecules in every cell, at least one (and often several) corresponding to each of the 20 amino acids required for protein synthesis.
- The different loops of tRNA are named according to their unique structures as follow:

معناها انه يمكن يكون عندي اكتر من tRNA مثلاً تنين والتين حاملين بس بالقابل التنين حاملين نفس ال Amino acid Anticodon

ما انه عنا 20 Amino acid
معناها ع الاقل *
لازم يكون عندي 20 نوع tRNA
بس المفاجأة عندي tRNA
اكثر بكثير من 20 ليه؟
لأنه يمكن يكون عندي اكتر من كورون
code for the same amino acid





- **Loop I**: contains the unusual base dihydrouracil so termed the D-loop
- **Loop II (Anticodon loop)**: It contains three bases known as the anticodon .It has anticodon sequence that can form base pairing with complementary codon of mRNA to put amino acid in it correct position during protein synthesis.
- **Loop III**: contains from 3-12 bases and it is the major site for variation in tRNA, so termed the variable loop.
- **Loop IV**: contains the unusual thymine and pseudouridine bases, so termed the TΨC loop as it contains this specific sequence.

circ. 70% tRNA
circ. 20% tRNA

Thymine
pseudouridine Cytosine loop

