



Genetics

Subject : Transcription in Eukaryotes
+ Processing of mRNA

Lec no : 11

Done By : Noor Zamel

وَقَالَ رَبُّ زَكْرُونِي عَلَيْهِ

الوصول الى guidance الجينيتس و تفاريغ المادة كاملة :



شرح الدكتورة ولاء الجزار للمادة

GENITICS ALAA AL-GAZZAR

تجدون هنا شرح المادة كاملة

تجدون هنا شرح الفريق العلمي للمادة كاملة

شرح تقديم (السلالات مختلفة) ، يمكن الاستفادة منها لفهم المفاسع

OLD GENETICS

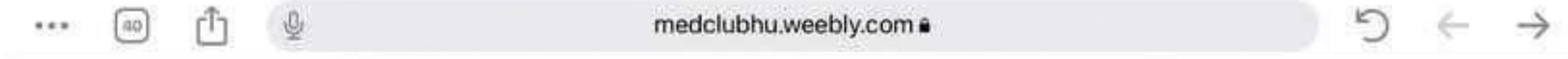
يمكن الاستفادة من تفاريغ الدفع السابقة

ATHAR BATCH

YAQEEN BATCH

VEIN BATCH

تجدون في guidance مادة الجينيتس على موقع النادي :



كل اعمال الفريق العلمي تنشر على قناته
التليغرام



Termination in eukaryotes:

- Leads to the dissociation of the complete transcript and the release of RNA polymerase from the template DNA. The process differs for each of the three RNA polymerases.
- As Pol II reaches the end of a gene, two protein complexes carried by the CTD (carboxy terminal domain), CPSF (cleavage and polyadenylation specificity factor) and CSTF (cleavage stimulation factor), recognize the poly-A signal (polyadenylation signal sequence AAUAAA) in the transcribed RNA.
- The sequences that, once transcribed into RNA, trigger transfer of these factors to the RNA are called poly-A signals

البروتين هاد رج سبادر انه اعلى mRNA (Poly A) tail + mRNA (Cleavage)

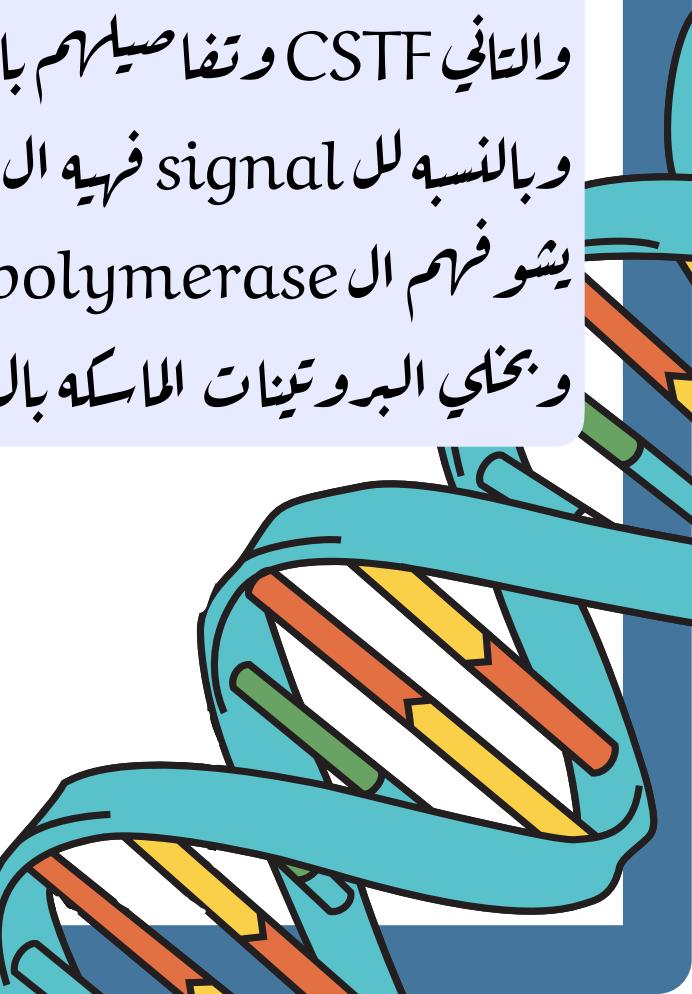
CPSF (cleavage and polyadenylation specificity factor)

رج سبادر اعلى mRNA بعدها DNA

CSTF (cleavage stimulation factor)

وصنان عند اخر خطوة للtranscription in eukaryotes
الالي هي ال termination متنى اسخنصال
واطلعه بر ال mRNA و يعمل translation في nucleus
الرايسموم

كيف رع ابني؟
بحاج اني اوصل signals بدل انه هاي
شوهه؟
قبل ما احكي شو ال signals في عنا في ال 2 زي
ما حكينا قبل tail اسمه CPSF ماتانه فيه بروتينين الاول
والثاني CSTF وتفاصيلهم بالبوكس الا صفر
وبالنسبة لل poly A signal فريه ال اول ما
يشوفهم ال RNA polymerase على ال DNA بمحزن حاله
و بخلي البروتينات الماسكه بال tail تاتعه تنتقل لل mRNA

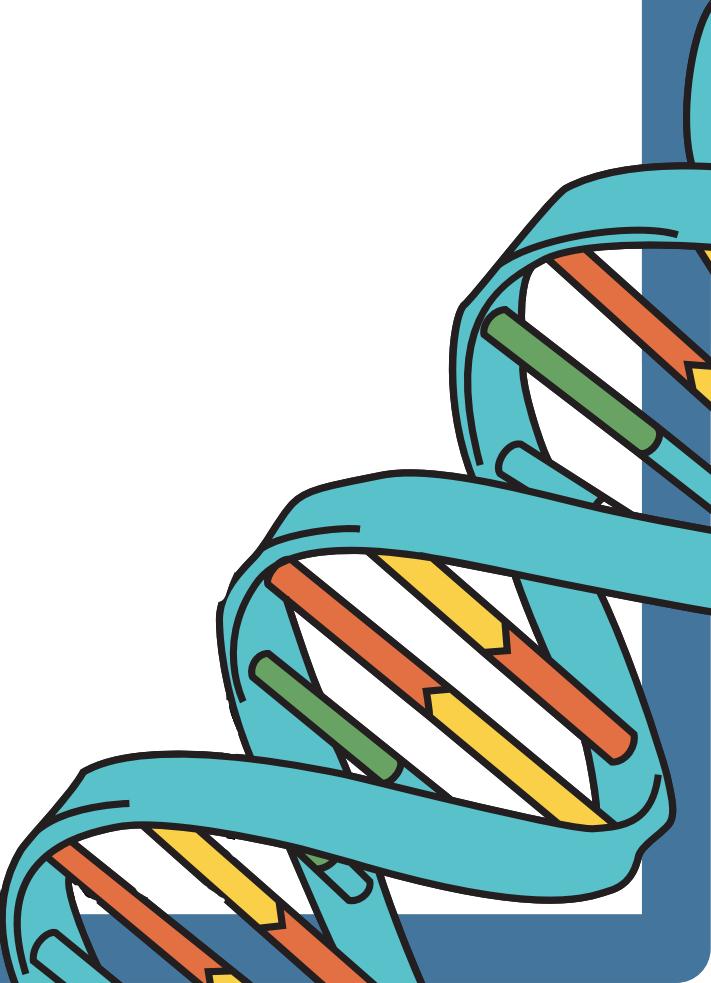


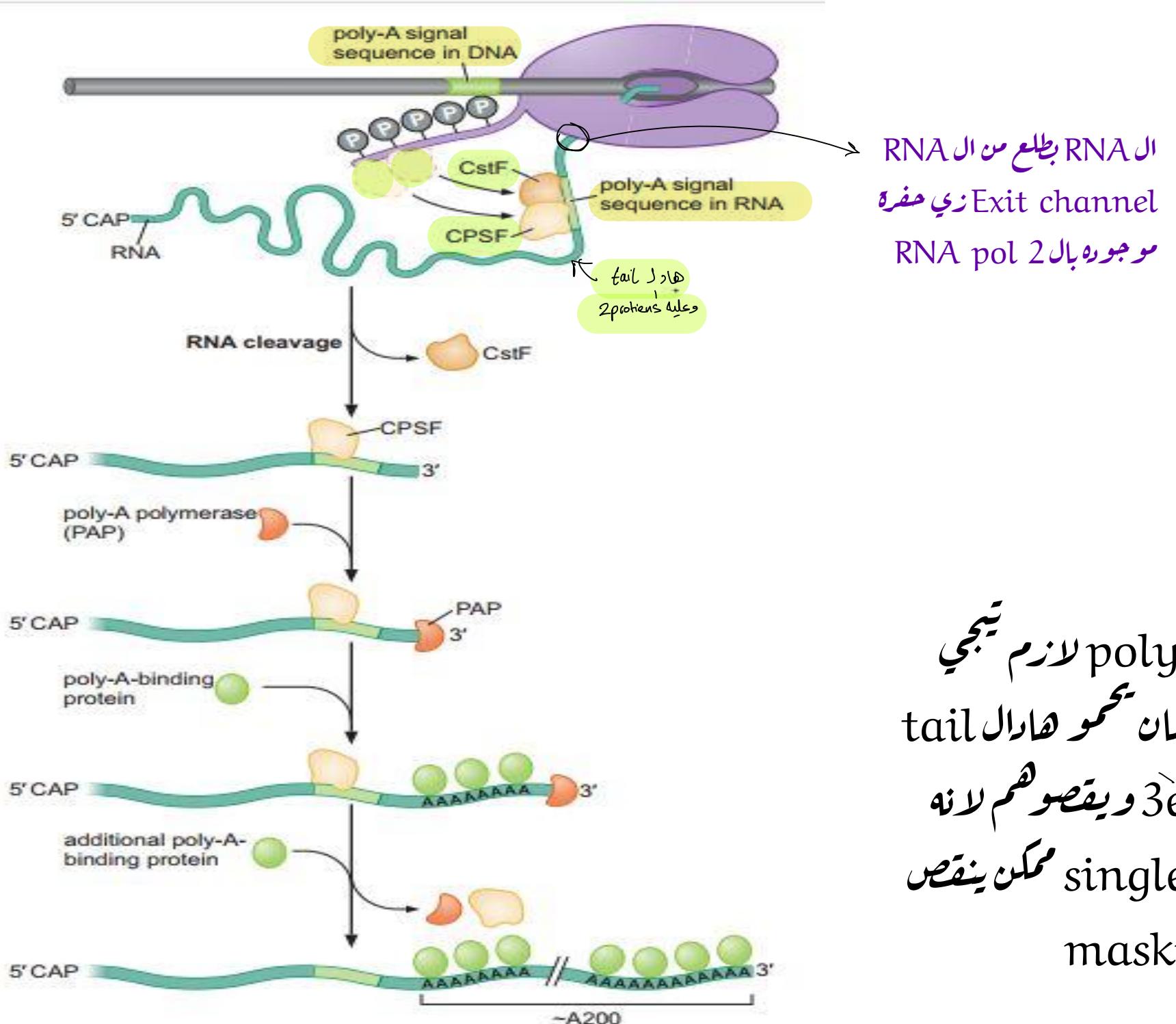
اول ما تنتقل البروتينات من الـ tail الى mRNA وتوقف عند الـ termination signal (الى استنسخ ع الـ mRNA) بروحو بناروكان بروتينات يساعدو هم في عملية الـ cleavage وانهم يعملو الـ tail ع نعمل cleavage من 15 الـ 20 نيو كيوب بعد الـ signal

- Poly-A-bound CPSF and CSTF recruit other proteins to carry out RNA cleavage and then polyadenylation. **Poly-A polymerase** adds approximately 200 adenines to the cleaved 3' end of the RNA without a template. The long poly-A tail is unique to transcripts made by Pol II.
- The RNA molecule made by RNA pol II is called a primary transcript, which needs extensive RNA processing in order to produce a mature mRNA for translation & protein synthesis.

هل هوه جاهز هباء انه نعمله ؟ translation

لا هار بسمه الـ processing primary transcript اللي هيه الـ post transcriptional modifications هيه الـ لا مكينا في tail وانه نشيل الـ introns ونلزى الـ exons مع بعض





بعد ما طینا ال poly A tail لازم تتجهي
برو عینا تمسن بال tail عمان سخمو هار ال tail
من ال exonucleases 3' ويفصو هشم لانه
اتفقنا انه اي single strand ممکن ينقض
اریان بخاول نعملهم masking

يعني علنا cleavage طینا ال tail وركبا فوه ال tail بروتینات عمان نخمه



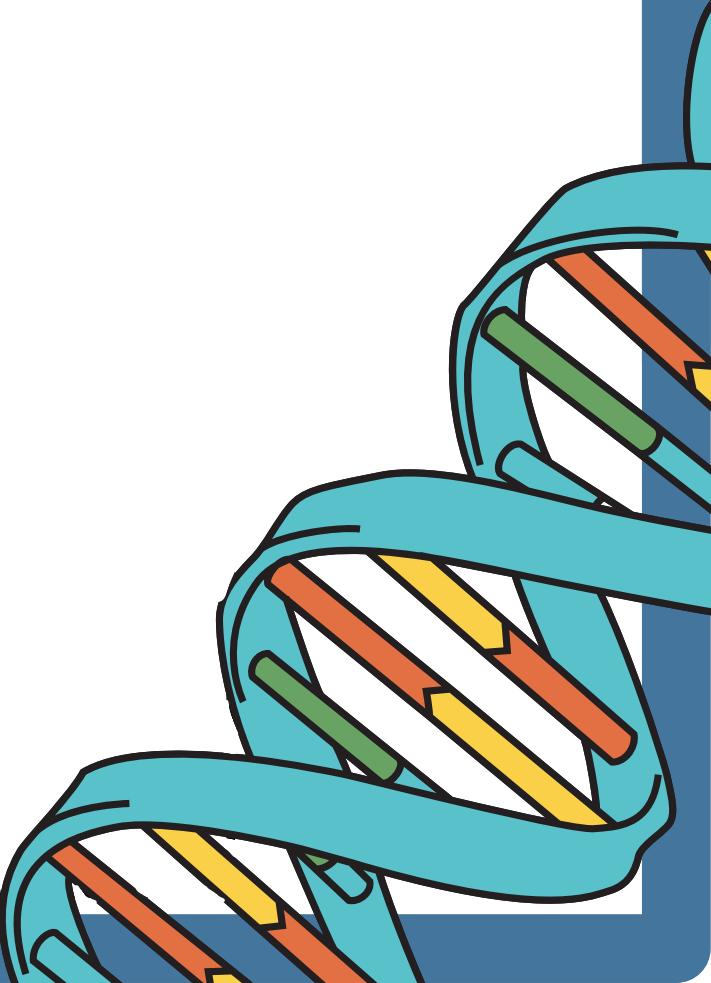


لها اهنا عن ال RNA primary transcribed بناتوف شو مع نغير فيه

بع نرجع نحكي عن ال modifications ونضيف الام بعض المعلومات

- Processing of mRNA
- Synthesis & Processing of ribosomal RNA (rRNA)
- Synthesis & Processing of tRNA

By
Dr. Walaa El Gazzar



Processing of mRNA

(Post transcription modifications)

A. 5'-Capping:

- The RNA is capped as soon as it emerges from the RNA-exit channel of polymerase. This happens when the transcription cycle has progressed only as far as the transition from the initiation to elongation phases.
 - The cap is a (7-methylguanosine triphosphate) attached to the 5' terminal end of the mRNA (which terminates at a triphosphate group).
 - One of the terminal phosphate groups is removed by RNA triphosphatase, leaving a bisphosphate group

* أول نيوكليوتيد بـحمض الـ mRNA يكون mono ولاTri
← Tri لا يـهو سايكـة بـأثـيـقـة قبلـها بـس الـ بـرـيـهـيـكـهـ أـهـمـلـكـ إـلـيـ جـدـيـعـ
بعـضـ الـ نـيـوكـلـيوـتـيدـ الـ اـلـ كـرـجـ تـيـجيـنـ تـهـلـكـ عـرـلـبـهـاـطـافـهـ فـرـحـ تـعـقـدـ الـ
فـوسـفـاتـ وـ تـهـلـكـ إـلـيـ جـلـعـ

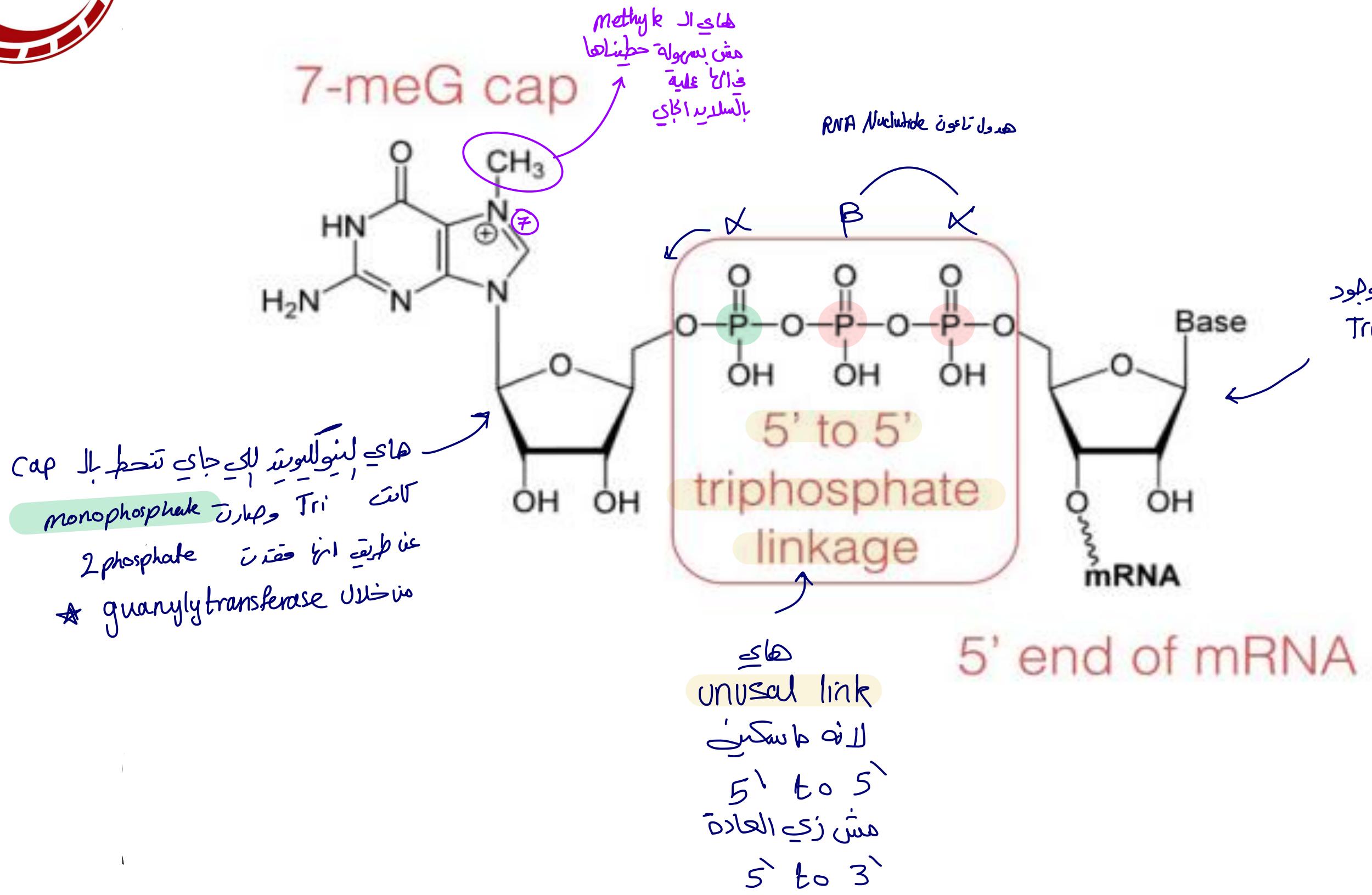
مسى رع ينحط ال cap ؟
اول ما يطلعالجزء الاول من ال mRNA خلال ال exit channel عطول
حكتها جبل إنه بوليلوسنان ال Base تابع
Methyle N⁷ guanine مزودين على عند الـ
مترتبطة بـ 3 فوسفات



- GTP is added to the terminal bisphosphate by mRNA **guanylyltransferase**, losing a pyrophosphate from the GTP substrate in the process. This results in the **unusual 5' to 5' triphosphate linkage.**

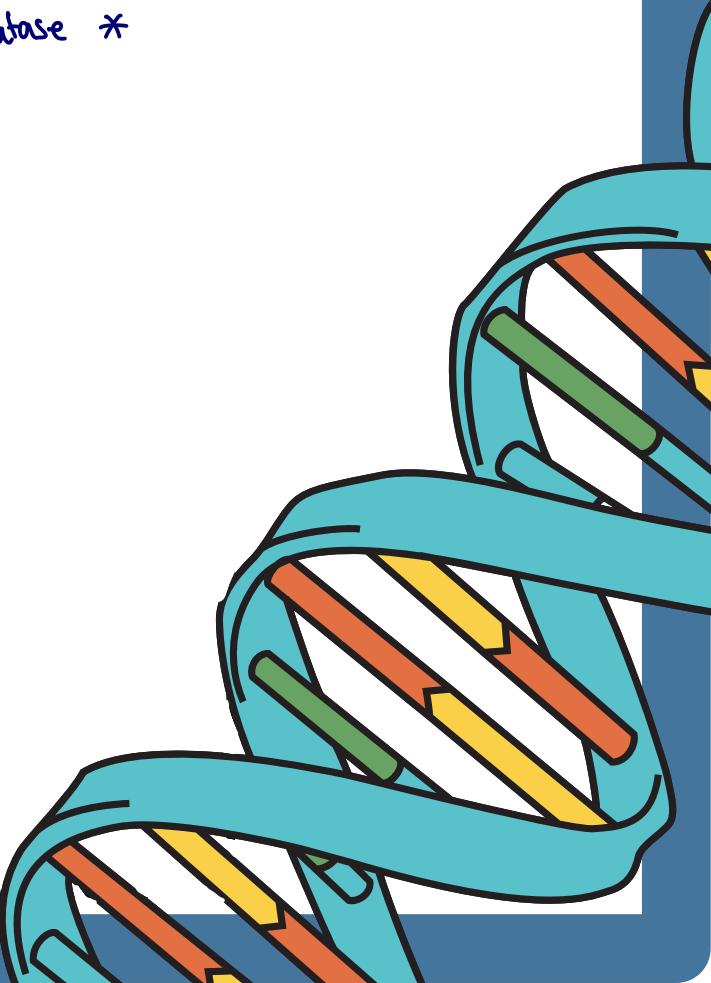


7-meG cap



هاد اول نوللوستر موکود
Tri V mRNA چیز

Diphosphate \rightarrow P₂
1 phosphate $\xrightarrow{\text{enzymatic}}$
RNA phosphatase *



- Methylation of this terminal guanine is catalyzed by **guanine-7-methyltransferase**.
- S adenosylmethionine, SAM, (active methionine) is the source of methyl group. **Methylation of N-7 of guanine of the GTP cap occurs in the nucleus.**
- In the cytoplasm, methylation may occur at 2¹ OH of ribose of some nucleotides, and at N-6 of adenine of some nucleotides (**secondary methylations**)

Q: RNA transcript و كان عند Carbon 2 OH اجنا اRNA و كان عند adenine أو لقيت ال N7 تاعت ال methylated adenine تغيرها secondary و اسانا هار primary و لا methyl على hera ال cytoplasm و صار في ال secondary الاجابة:

عنان امط ال cap عند ال 5 في عندي steps اولها اني ملت 2phosphate و هلا بد اضيف Guanie N7 methyl group و بسمي هاي primary methylation اللي مع يضيفي هاي ال group هوه guanine 7 methyltransferase مصدرها من وين؟

امه SAM و هوه راعي مصدر الميل methyl acid Amino و هوه راعي مصدر الميل active methionine group وين بصير هاي العمليه؟

في ال nucleus او اول ما يطلع ال transcript من ال channel بخطه الاشياء هاي

في ائي تاني عنا اسمه secondary methylation بعد ما يطلع ال RNA في بعض النيوكليوتيدات برضه بصير لها methylation في ال cytoplasm في بعض النيوكليوتيدات عند ال Carbon 2 OH تاعت ال ribose في ال Adenine base بعمل اهم N7 methylation لازمه انزيماته هنالك موجوده و كان جزء من النيوكليوتيدات اللي فيه اهم Cytoplasm لا زه انه هار الميل ما بصير الا بال باس لازم تأكـد انه هار النوع من ال melylation

لِه اول مَا ال RNA يطْلُعُ مِنَ ال channel بِنِطْلَه cap ؟
اتَّفَقْنَا أَنَّهُ إِيْ بَكُونَ single strand بِنَكُونَ خَارِفِينَ عَلَيْهِ مِنْ
الْمُبَعْدَلِه nucleuses

❖ Importance of capping:

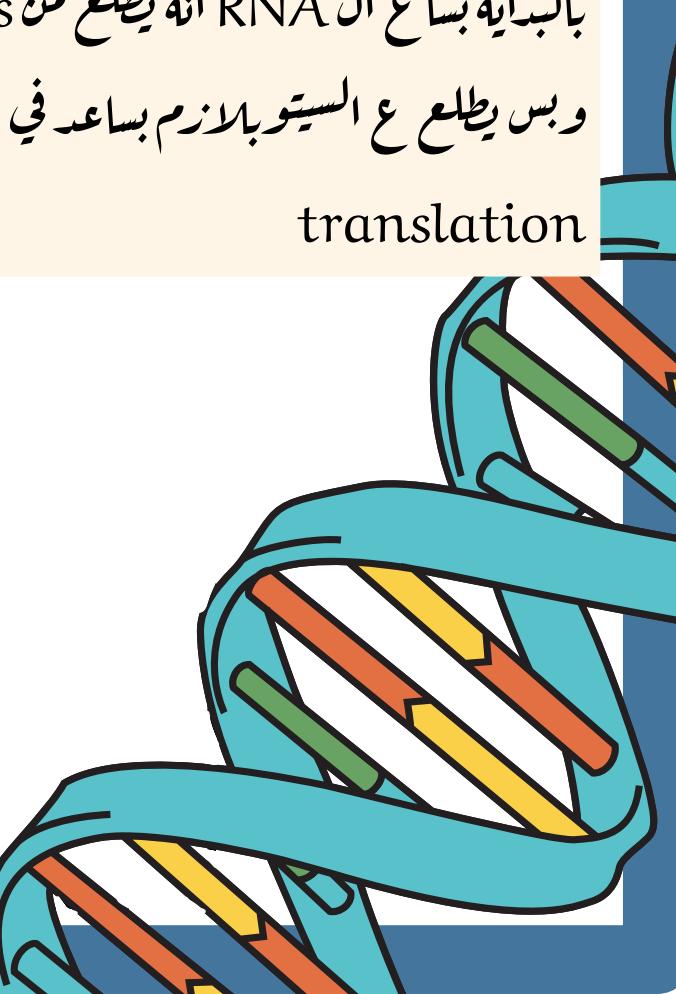
- It protects the 5[¶] end of the mRNA from 5[¶] exonuclease enzyme.
- It helps its recognition by the ribosome.
- It helps the initiation of protein synthesis.
- Eukaryotic mRNA lacking the cap are not efficiently translated.
- Helps transport of mRNA to the cytoplasm.

وَمَكِّنَنَا بِال tail فِي ال 3prime exonuclease بالبَرْوَنَاتِ
الَّتِي فِيهِ تَحْمِيهٌ مِنَ ال 3prime nucleases

كُلَّ اِنْزِيمَهِ اَللَّهِ بِشَفَلٍ وَبِتَسْرِعٍ فِي اِنْزِيمَاتِ اَنْزِيمَاتِ 5prime 3prime

مِنَ الْفَوَادِيَهِ لِل cap غَيْرِ الْمُحَايِهِ
بِالْبَرَاهِيهِ بِسَاعِ ال RNA اَنَّهُ يَطْلُعُ مِنَ ال nucleus لِل cytoplasm
وَبِسَطْلُعِ الْسِّتُورِبَلِيزِمِ بِسَاعِ فِي اَنَّهُ يَعْرُفُ عَلَيْهِ الرَّابِيُوسُومُ وَيَسِّأُ عَمَلِيَهِ الِّ translaٽion

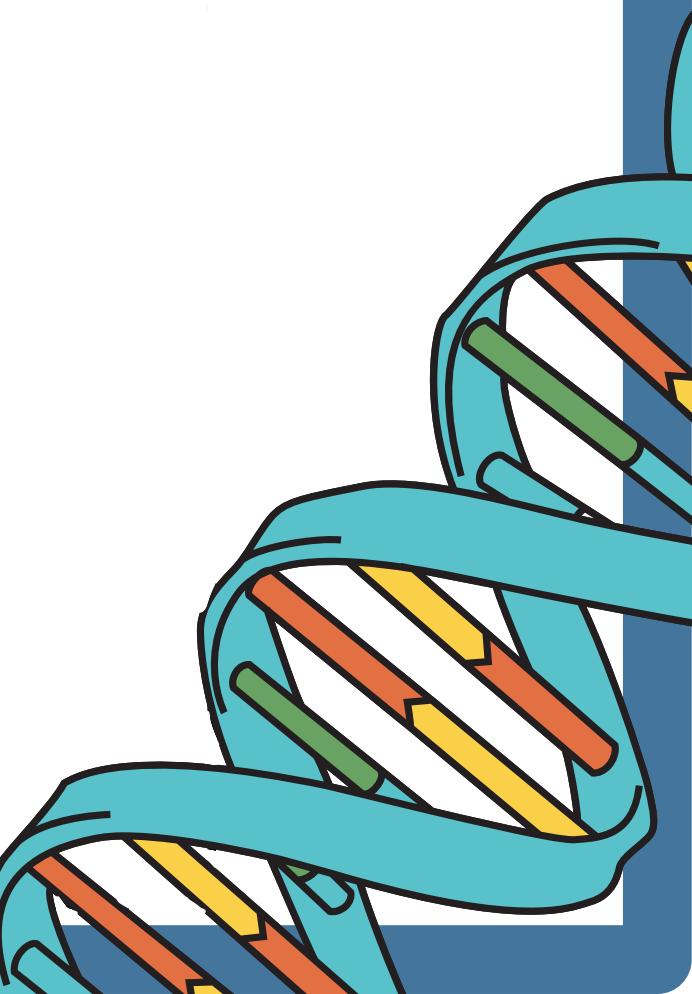
لَقِيَنَا اَنَّهُ الِّ mRNA الَّتِي مَا فِيهِمْ cap عَمَلِيَهِ الِّ translation تَسْعِيَهُ اِمَامَاعِ شَتَمْ او مَا بِكُونَ بِالْكَفَاءَهِ الِّ مُطلُوبَهِ

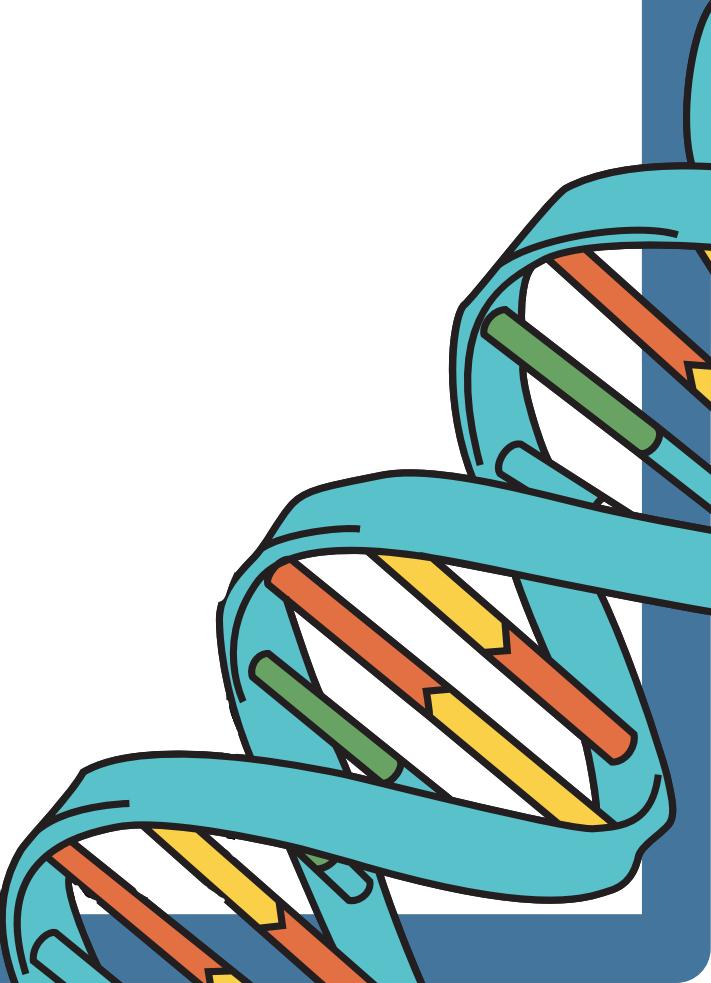
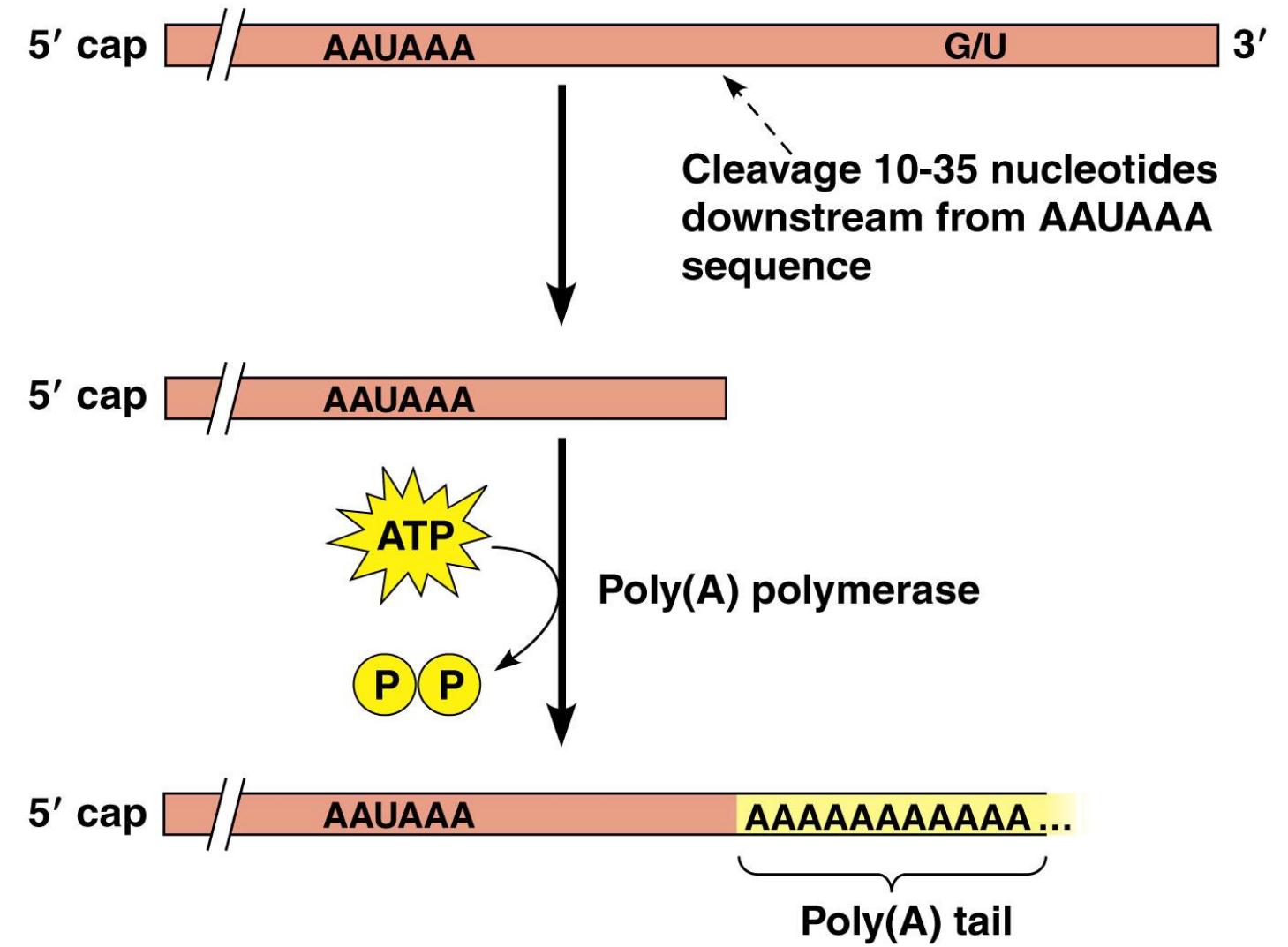


B. Addition of poly(A) tail:

- ✓ The final RNA processing event, polyadenylation of the 3' end of the mRNA, is intimately linked with the termination of transcription
- ✓ It is the addition of poly- A tail at the 3' end of mRNA (100-200 A bases).
- ✓ This poly-A tail is not transcribed from DNA but added after transcription by the enzyme polyadenylate polymerase using ATP as a substrate.
- ✓ This occurs after the mRNA is cleaved 15-20 nucleotides downstream from the AAUAAA recognition sequence.
- ✓ The poly-A tail immediately binds several copies of a poly (A) binding proteins that protect mRNA against 3' exonuclease.

اـفـر اـئـمـي لـاـبـنـي بـارـقـي الـtail termination signal عـلـى AAUAAA cleavage من DNA بـنـبـأ نـعـمـل ١٥ الـtail كـلـيـوـتـيد وـبـعـدـهـا الـبـرـوـتـينـات الـمـوـجـوـرـهـ عـلـى اـخـرـهـ عـنـ طـرـيـقـ poly A tail وـصـرـ الـA polyadenylate polymerase من الـATP فـبـهـايـ الـحـالـهـ الـATP مـوـصـرـ طـاقـهـ وـصـرـ tail عـمـانـ اـعـمـلـ الـtail





اهمية ال tail هي أنه بمساعدة cap يطمع ال mRNA من ال nucleus بسروره وبرضو بساعد انه يتوجه صحيحاً لل target تابعه الذي هوه الرابوروم وستتم عملية ال translation بكفاءة بعمل مكان اشي الذي هوه ال stabilization لـ mRNA كيف يعني؟

مثينا انه ال tail طوله يحددة ال half life time كما كان اطول هار ال mRNA كما ان mRNA قعد اكتر بالسيتو بلازما من غير ما يكسر وهار بضمون انه ال ستم صحيحة وستتم للنفريه translation

❖ Importance of poly-A tail:

- It stabilizes the mRNA & protects it from exonucleases enzymes. The length of poly (A) tail determines the half life time of mRNA.
- Increases the efficiency of translation.
- It facilitate their exit from the nucleus .After the mRNA enters the cytosol, the poly-A tail is gradually shortened.

كل ما قعد ال mRNA بالسيتو بلازما اكتر ال tail poly tail يكسر وهار المفترض بصير بعد مل يكون خاص صار translation

عنان اضمون ال mRNA يصل طول عملية ال translation ويكون functional لازم يكون عنده cap وبدون tail

هين يكون مضمون الا اذا صارت اخطاء في عملية ال translation



هیئ خاصنا من ال cap وال tail و ضایل عنا انه نشیل ال
ونازب ال introns مع بعض exons

C. Removal of introns and splicing of exons :

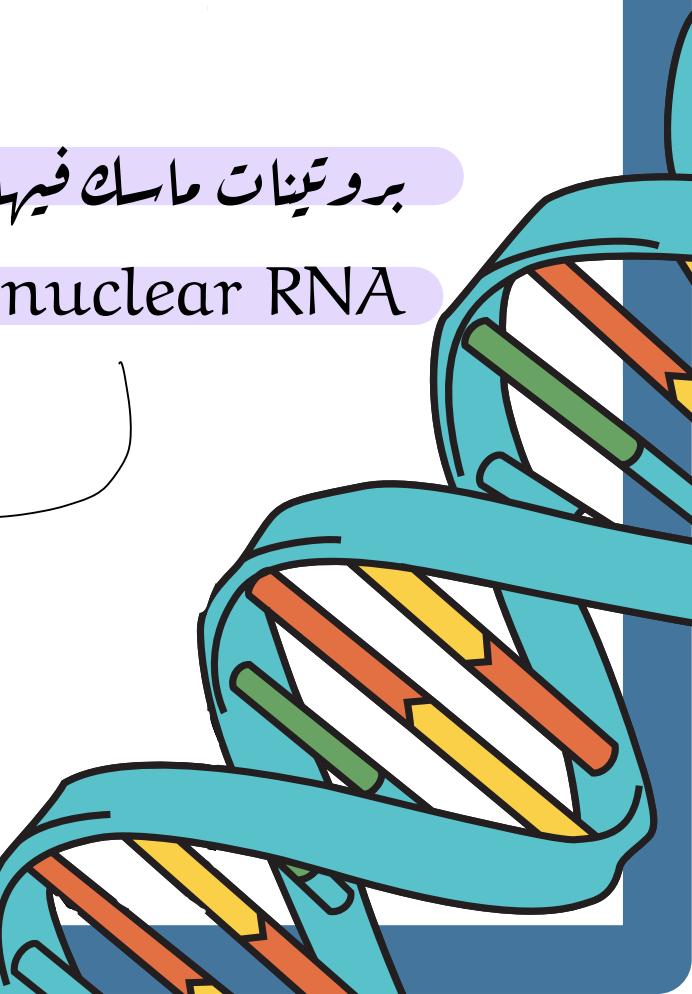
- It means excision of introns and joining the ends of exons to **leave only the functional mRNA molecule.**
- This process occurs in the nucleus by the help of **the small nuclear ribonucleoproteins (snRNP, or snurps)** which are composed of small nuclear RNA (snRNA) and proteins.

مین رع يعمل های العمليه ؟

بروتئنات ماسن فیرها RNA اي نوع منه
مکینا عنده قبل انه بصنفرم 3+2 RNA pol 2+3 Small nuclear RNA

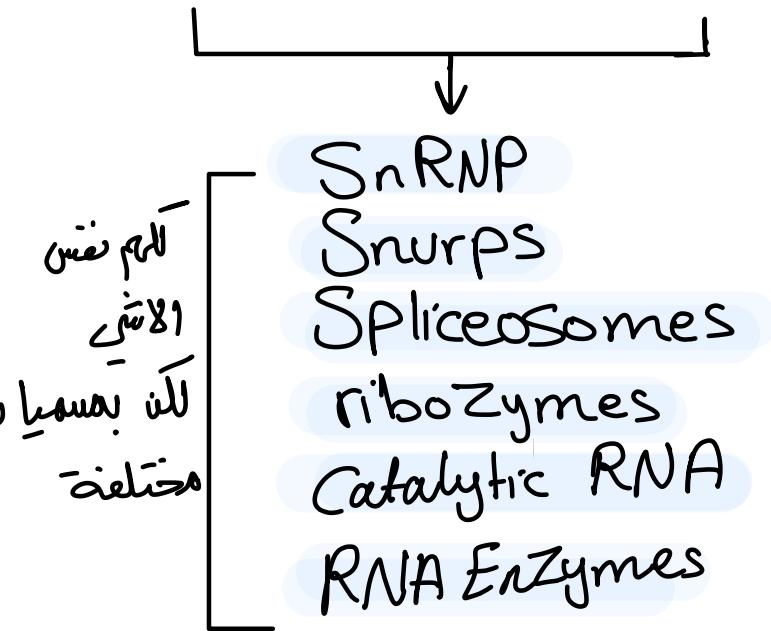
و يربطه مع جين RNA
(SnRNP / Snurps)

يحيى اورجينا اور جينات ال exons وال introns



Small nuclear RNA + proteins
(Enzymes)

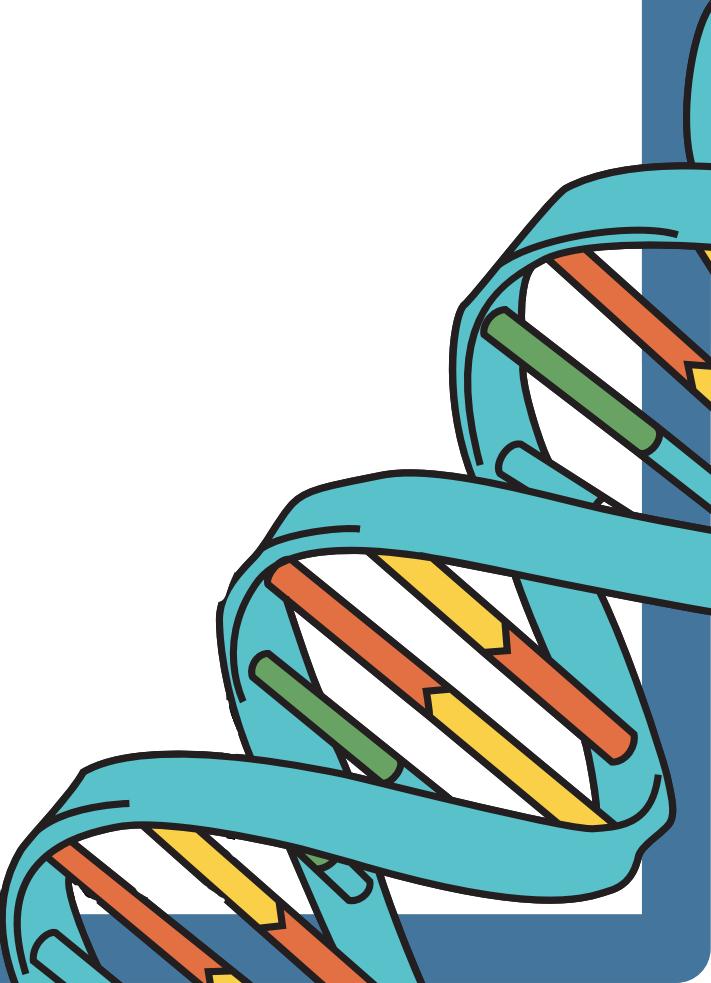
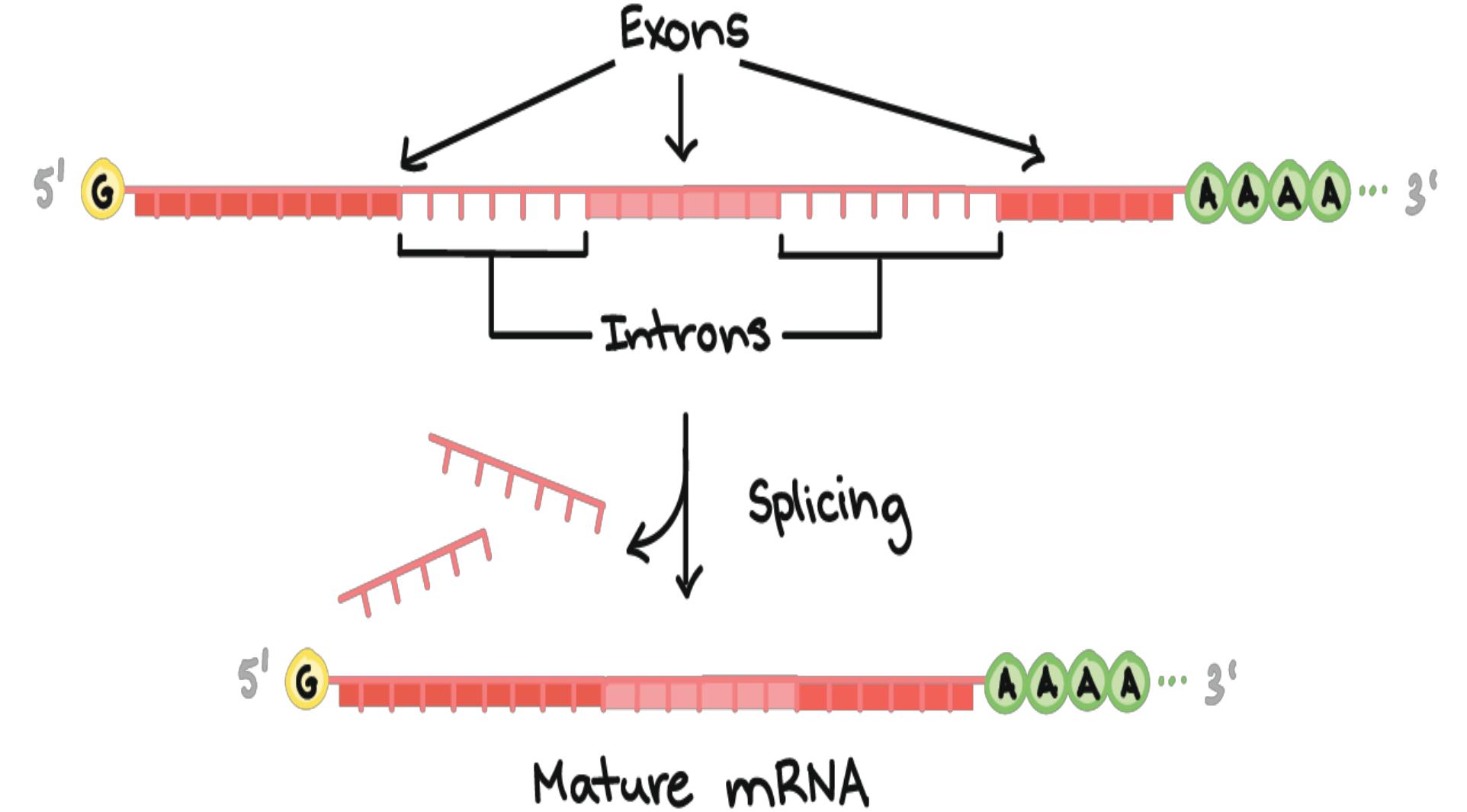
- Snurps acting on mRNA are called **spliceosomes**. This is an example of catalytic RNAs or RNA enzymes, which are termed **ribozymes**.
- The sequence of bases at the exon-intron junction determines the site of splicing.



* مين اللي بحد رحبي ال Snurps في هاي بقراطه ينقطع ؟

Sequences اللي جابين ال INTRONS و EXONS لاره في Junction pri
نعرفنا انه اللي جادي exon او intron



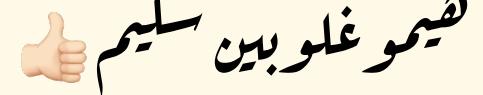


تأثير عملية الـ splicing

اول اشي بدنا نعرف انه التلاسيما هوه خلل بحاجة
الدم (المهمو غلوبين و فحلايا الدم الحمراء)

المهمو غلوبين مكون من 4chains

عنان يصنع صنع لازم الجين تابع الـ beta chain
الـ sequence فيه صنع عنان يطلع mRNA مرتبط اضيف له cap
وائله الـ introns و كذلك لا لافا عنان يطلع عندي
المهمو غلوبين سليم



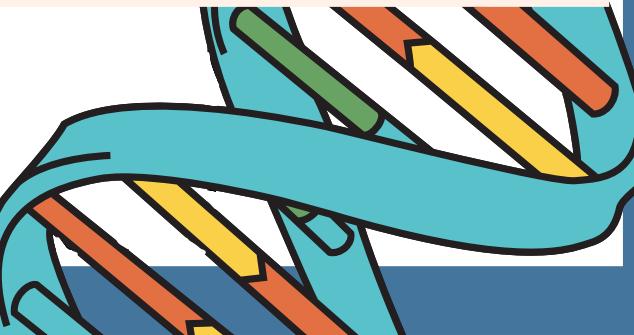
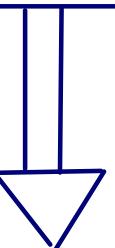
في نوع من انواع التلاسيما اسمه B thalassemia

اللي يطلع من الـ Beta gene mRNA عند مشكله تغير

النيوكليوتيدات في الـ junction بين الـ exons والـ introns وبالتالي
الـ snurps قادر تقص و تزور في ما مع نشيل الـ introns هيك
صار ما مع قادر تعمل non functional mRNA molecule

و تطلع beta poly chains (الـ beta translation)
الـ peptide (الـ بـ المهمو غلوبين وبالتالي مشكله بـ المهمو غلوبين)

تو ضيحرم بالسلام الجاي





عناصر اسیدی systemic lupus erythematosus(SLE)

لقد کان انه ال Histon mRNA

(الای مکینا عنہ فی ال organization DNA nucleosome ورع نعرف انه الراحم رور کان فی ال cell cycle من ال S phase ایتاء ال expression بصیر لام (regulation of gene expression لانه ال DNA replication بصیر بھار ال phase وال DNA مابنل ف الا راع هستون لریان سمیتہ وھار اسم تانی الہ Replication dependent

الأنواع الثانية من المستون عندهم

لریان انثربو انه بس هار النوع introns

عذر



ايس فائدة انه يكون الجينات الالي بطلعونا بروتينات
نظمين ع سفل exons و introns

Two advantages are suggested for having protein- coding genes organized as exons & introns:

- 1- Alternative splicing may lead to the formation of different types or new types of mRNA molecules or proteins.
- 2- Also this will decreases the possibility of effective mutations, (that result in protein abnormalities or disease), if it occurs at the regions of introns.

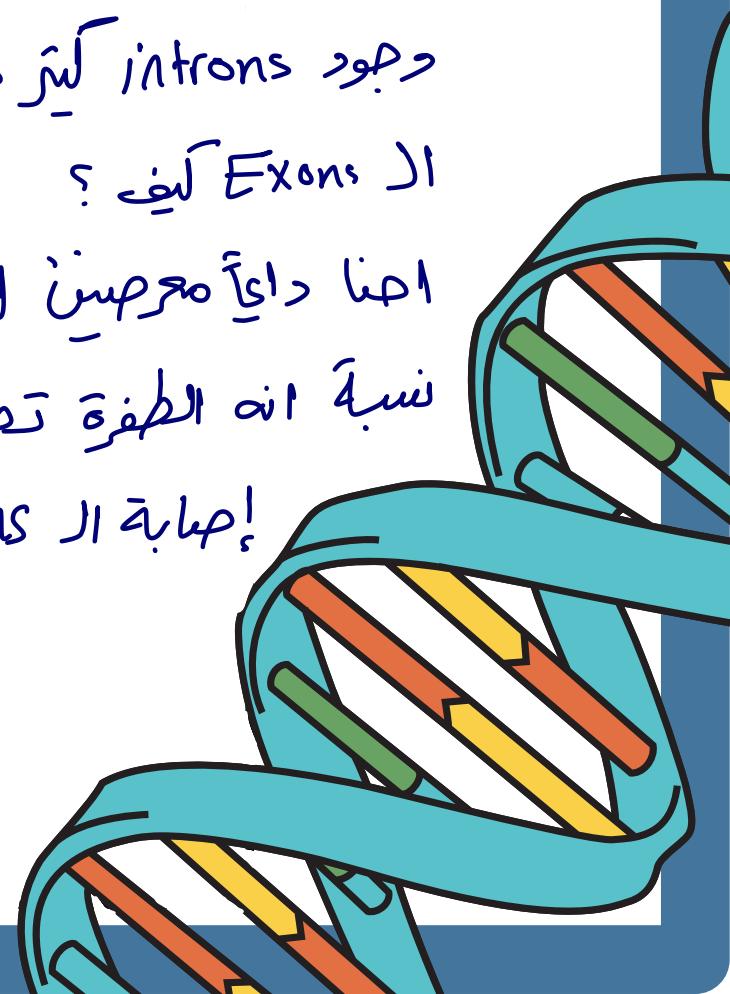
يعني يتيح الناتج انواع عديدة من الـ mRNA بالتالي
انواع كثيرة من البروتينات

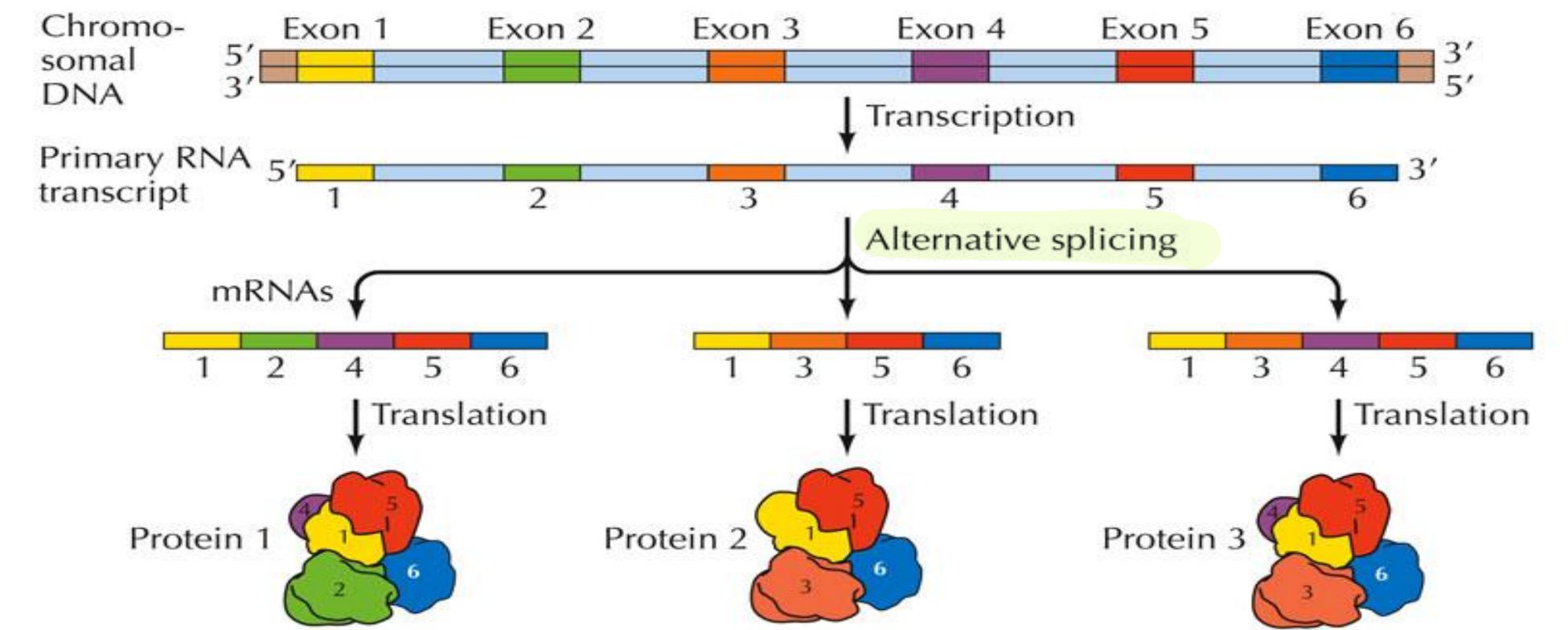
بقل نسبة حدوث طفرات كيف ؟
وجود exons و introns كثير يعني
الـ Exons كيف ؟

اما داي معهدين الطفرات وجود introns كثير نزيد
نسبة انه الطفرة تصيب introns بدلاً من
EXONS كثابة الـ

Rate of mutation in introns > Rate of mutation in Exons

لأن عدد كثير





THE CELL, Fourth Edition, Figure 5.5 © 2006 ASM Press and Sinauer Associates, Inc.

- Alternative splicing, or differential splicing, is a regulated process during gene expression that results in a single gene coding for multiple proteins.
- In this process, particular exons of a gene may be included within or excluded from the final, processed messenger RNA (mRNA) produced from that gene.
- Notably, alternative splicing allows the human genome to direct the synthesis of many more proteins than would be expected from its 20,000 protein-coding genes.

هذا يسمى بـ
ـ معلومة واحدة

ـ تـ... لـ
ـ عـ لـ
ـ وـ لـ
ـ لـ

Alternative Splicing

